

**第52回
研究報告会プログラム**

プログラム

9月4日(水) (*はショートトーク)

(ロングトークは発表9分、ショートトークは発表5分、討論は各3分です。)

12:00 受付開始
12:35 開会、事務連絡

セッションI：ストレス応答(I) [座長：望月貴博、高崎輝恒]

- 12:45 I-1 *S. cerevisiae*のSIR2遺伝子領域における新規遺伝子とその機能
○飯田哲史、小林武彦
(東大・定量研・ゲノム再生)
- 12:57 I-2 サイトゾル環境によるUnfolded protein responseの制御
Le Quynh Giang、木俣(石渡)有紀、○木俣行雄
(奈良先端大・バイオ)
- 13:09 I-3 分裂酵母の酸化ストレス応答におけるダウン症責任因子DSCR1/
RCAN1ホモログの新たな役割
○高崎輝恒、松村綾華、真鍋 涼、佐藤亮介、杉浦麗子
(近畿大・薬)
- 13:21 I-4 Pop2の39番目のセリンのリン酸化はストレス応答遺伝子HSP12、
HSP26のグルコース抑制制御に機能する
Pham Thi Kim Lien、Nguyen Thi Minh Viet、水野智亮、須田恭之、
○入江賢児
(筑波大・医・分子細胞生物)
- 13:33 I-5 膜を持たないオルガネラであるストレス顆粒のMAPKシグナル制御ハ
ブとしての働き
○杉浦麗子
(近畿大・薬・分子医療・ゲノム創薬学)
- 13:45 I-6 出芽酵母の圧力適応に重要なシグナル伝達経路の探索
○望月貴博、波多野絵梨、藤山未奈、阿部文快
(青山学院大・理工)

13:57 I-7 複合スフィンゴ脂質IPCの代謝調節による低pHストレス適応
大津美紀子、○谷 元洋
(九州大院・理・化学)

14:09 ~ 14:25 休憩

セッションII：膜輸送・オルガネラ [座長：長野 真、古川健太郎]

14:25 II-1 N末端シグナルペプチドを欠失した膜タンパク質のERへのトランスロ
ケーション機構
飯田和子、○飯田秀利
(東京学芸大・教育・生命科学)

14:37 II-2 小胞体における積荷タンパク質選別輸送ゾーンの解析
○黒川量雄¹、Sofia Rodriguez Gallardo²、Manuel Muñiz²、中野 明彦¹
(¹理研・光子工学・生細胞超解像イメージング、
²セビリヤ大・細胞生物)

14:49 II-3 トランスゴルジネットワークが制御するエンドソーム形成の分子機構
○長野 真¹、青嶋海斗¹、十島純子^{1,2}、十島二郎¹
(¹東京理科大・基礎工・生物工、²東京工科大・医療保健)

15:01 II-4 ユビキチン結合ドメイン改変Vps27の機能解析
○杉本 舞¹、奥 公秀^{1,2}、阪井康能^{1,2}
(¹京大院・農、²京大・学際融合)

15:13 II-5 Autophagy recycles serine to support adaptation to respiratory growth
○Alexander I May, Yoshinori Ohsumi
(Institute of Innovative Research, Tokyo Institute of Technology)

15:25 II-6 マイトファジーの抑制に関与するプロテインホスファターゼPpg1と
Far複合体の解析
○古川健太郎、Aleksii Innokentev、福田智行、神吉智丈
(新潟大院・医)

15:37 II-7 *S.cerevisiae*のミトコンドリアに局在する一群の若い小さなタンパク質
堀内智司¹、○守屋央朗^{2,3}
(¹岡大院・自然科学、²岡大院・環境生命、³岡大・異分野コア)

15:49 II-8 出芽酵母細胞分裂時の既存タンパク質分配のプロテオーム解析
○杉山伸樹^{1,2,3}、田中元雅^{1,2}
(¹理研・CBS、²東工大・生命理工、³現所属 OIST・膜生物学ユニット)

16:01 ~ 16:15 休憩

セッションⅢ：学生発表賞エントリー演題 (I) [座長：塩崎一裕、船戸耕一]

16:15 III-1* 分裂酵母5型キネシンCut7の細胞周期M期における新規機能
○寺谷康宏¹、湯川格史^{1,2}、登田 隆^{1,2}
(¹広島大・院先端研・分子生命、²広島大学健康長寿研究拠点)

16:23 III-2* 分裂酵母の新規RNA結合タンパク質Nrp1の機能解析
○大石充輝¹、湯川格史^{1,2}、登田 隆^{1,2}
(¹広島大・院先端研・分子生命、²広島大学健康長寿研究拠点)

16:31 III-3* *S. pombe*での減数分裂におけるFkh2の減数分裂前DNA複製と減数分裂を連携するチェックポイント機構の解析
○岡崎亜美¹、小菅清二¹、三輪由紀子²、饗場浩文²、村上浩士¹
(¹中大院・生科、²名古屋大・創薬)

16:39 III-4 分裂酵母mTORC1によるPol III転写抑制因子Maf1のリン酸化制御
○伊計 舞¹、両角佑一¹、塩崎一裕^{1,2}
(¹奈良先端大バイオ領域、²University of California, Davis)

16:51 III-5 過剰発現が高温環境で適応的にはたらく遺伝子の体系的探索
○佐伯 望、守屋央朗
(岡大院、環境生命)

17:03 III-6 新規小胞体膜タンパク質Ehg1による酵母栄養源輸送体の制御
○加藤祐介¹、黒坂豪祐¹、上村聡志²、望月貴博¹、伊村咲希¹、石田夏穂¹、石井凌賀¹、野田陽一^{3,4}、阿部文快¹
(¹青山学院大・理工、²東北医薬大・医、³東大・東大院・農生科、⁴CRIM)

17:15 III-7 COPII小胞の形成を調節するHenry regulatory circuit
○加藤萌伊¹、中村浩樹²、衛藤克樹²、辛島健文²、Javier Manzano-Lopez³、Manuel Muñoz³、船戸耕一¹
(¹広島大院・統合生命科学、²広島大院・生物圏、³University of Seville)

- 17:27 III-8* 小胞体—細胞膜間の膜接触部位はTORC1の上流で液胞の分裂を調節する
○西川謙介、池田敦子、船戸耕一
(広島大院・生物圏)
- 17:35 III-9 出芽酵母におけるオートファジー関連構造体の網羅的形態解析
○河岡辰弥¹、李 楚寧¹、鈴木邦律^{1,2}
(¹東大・院新領域・先端生命、
²東大・院新領域・生命データサイエンスセンター)
- 17:47 III-10* 出芽酵母のCa²⁺輸送体OSCAsによるストレス応答への寄与
○上原千央¹、柴田あすか¹、浜本 晋¹、笠原 紳²、魚住信之¹
(¹東北大・院工、²宮城大・院食産)
- 17:55 III-11 出芽酵母においてKre5はERでKre6のフォールディングを補助する
○難波聖人^{1,2}、足立博之^{1,2}、野田陽一^{1,2}
(¹東大・院農生科・応生工、²東大・微生物連携機構)
- 18:10 ~ 19:10 ポスター発表 (奇数番号)
- 20:00 ~ 運営委員会

9月5日(木) (*はショートトーク)

(ロングトークは発表9分、ショートトークは発表5分、討論は各3分です。)

セッションⅣ：学生発表賞エントリー演題(Ⅱ) [座長：加納純子、廣田耕志]

- 9:00 IV-1 出芽酵母スフィンゴ脂質代謝制御に関わる機能未知転写因子Mlm2の機能解析
○小松楠於¹、石野裕子¹、谷 元洋²、上野俊哉¹、前田達哉³、田中直孝¹、田淵光昭¹
(¹香川大・農、²九州大院・理、³浜松医大・医)
- 9:12 IV-2 *Komagataella phaffii*におけるメタノール濃度に応答した転写因子Mxr1のリン酸化動態解析
○井上紘一、由里本博也、阪井康能
(京大・院農・応用生命)
- 9:24 IV-3 Effects of 3, 3'-Diindolylmethane on chromosome function in fission yeast
○Parvaneh Emami and Masaru Ueno
(Graduate School of Integrated Sciences for Life, Hiroshima University)
- 9:36 IV-4 分裂酵母のサブテロメア全DNA配列決定と機能解析
○加治拓人、竹下由美子、田代三喜、加納純子
(阪大・蛋白研)
- 9:48 IV-5 BRCA2 homolog of *Cryptococcus liquefaciens* required for DNA repair
○Palihati Maierdan¹、坪内英生^{1,2}、梶谷 嶺¹、韓 龍雲¹、伊藤武彦¹、岩崎博史^{1,2}
(¹東工大院・生命理工、²東工大・科技創成研究院、³理研・生命医科学研究センター)
- 10:00 IV-6 ヒストンバリエントH2A.Z機能構造の進化的保存性の解析
○北川紗帆¹、日下部将之²、奥 裕之¹、高橋大輔¹、成宮 巧¹、中林 悠³、関 政幸³、原田昌彦¹
(¹東北大院・農、²神戸大・バイオシグナル総合センター、³東北医薬大・薬)
- 10:12 IV-7 ゲノムの安定性維持に関わるRNA分解系CCR4-NOTの機能解析
○細山田舜^{1,2}、佐々木真理子²、小林武彦^{1,2}
(¹東大院・理学系研究科・生物科学専攻、²東大・定量生命科学研究所)

10:24 IV-8 非コードRNA転写共役型クロマチン再編成による転写・組換え制御機構の解析
○千松賢史¹、浅田隆大¹、小田有紗²、太田邦史²、廣田耕志¹
(¹首都大・理、²東大・総合文化)

10:36 ~ 10:55 休憩

セッションV：核・染色体(I) [座長：久米一規、湯川格史]

10:55 V-1 分裂酵母ゲノム安定性における超長鎖脂肪酸伸長酵素の役割
○平岡泰^{1,2}、衣笠泰葉¹、平野泰弘¹、原口徳子^{1,2}
(¹阪大・生命機能、²情報通信研)

11:07 V-2 分裂酵母に特異的な核膜孔複合体構造の解析
○浅川東彦¹、梶谷知子^{2,3}、松田厚志²、大槻千鶴¹、平岡 泰^{1,2}、
原口徳子^{1,2}
(¹阪大・院生命機能、²情報通信研究機構、³日本女子大・理)

11:19 V-3 分裂酵母の核サイズ制御における核膜タンパク質の役割
○久米一規¹、Paul Nurse^{2,3}
(¹広大院・統合生命、²The Francis Crick Institute、
³Rockefeller University)

11:31 V-4 DNA二本鎖切断を受けたりボソームRNA遺伝子は核膜孔に結合して安定化される
○堀籠智洋¹、鷗ノ沢絵理^{2,3}、大木孝将¹、小林武彦^{1,2,3}
(¹東大・定量研・ゲノム再生、²遺伝研、³総研大)

11:43 V-5 M期後期の紡錘体形成・伸長における分裂酵母6型キネシンKlp9の役割
○湯川格史^{1,2}、古田健也³、登田 隆^{1,2}
(¹広島大・院統合生命、²広島大学健康長寿研究拠点、
³情報通信研究機構・未来ICT研究所)

11:55 V-6* 正確なスピンドル長を規定する微小管重合・脱重合因子のクロストーク
Corinne Pinder^{1,2}、松尾祐児¹、河上友基²、湯川格史^{2,3}、○登田 隆^{1,2,3}
(¹英国Francis Crick研究所、
²広島大・院統合生命科学・³健康長寿研究拠点)

12:03 ~ 13:15 昼食

セッションVI：核・染色体(II) [座長：山田貴富、沖 昌也]

- 13:15 VI-1 分裂酵母におけるDNA複製と相同組換え開始を制御するCds1キナーゼと転写因子Mei4の機能解析
小菅清二¹、山田貴富^{1,2}、村上優子³、饗場浩文⁴、○村上浩士¹
(¹中央大・理工・生命、²東大・教養、³順天堂・医、⁴名古屋大・創薬)
- 13:27 VI-2 染色体構造中における減数分裂期DSB形成機構
○山田貴富^{1,2}、太田邦史¹、村上浩士²
(¹東大・院・総合文化、²中央大・理工)
- 13:39 VI-3 分裂酵母の遺伝子発現パターン記憶メカニズムの解明
○川上 慶¹、上野由佳里¹、物部あすか¹、浜田奏子¹、中谷文香¹、葉山菜央²、田中克典¹
(¹関学大・理工、²大阪市大・理学)
- 13:51 VI-4 一度壊れたヘテロクロマチン領域の完全回復には時間を要する
田中元基¹、金田真奈¹、畑下昌範²、○沖 昌也^{1,3}
(¹福井大院・工・生物化学、²若狭湾エネルギー研究センター、³福井大・ライフサイエンスイノベーションセンター)
- 14:03 VI-5* 油脂生産酵母Swi6ホモログの同定
○高山優子
(帝京大、理工)

セッションVII：有性生殖・性分化 [座長：清家泰介、佐藤政充]

- 14:11 VII-1 接合フェロモンの一次構造は最適化されているのか
○下田 親
(大阪市大・院理・酵母遺伝資源センター)
- 14:23 VII-2 近縁種の作るフェロモンを使って、*S. pombe*を交配させる実験的試み
○清家泰介¹、阪田奈津枝¹、下田 親²、仁木宏典³、古澤 力^{1,4}
(¹理研・生命機能科学、²大阪市大・院理、³遺伝研・遺伝形質、⁴東大・院理)

14:35 VII-3 分裂酵母1細胞RNA-seq法の導入による孢子発芽時のトランスクリプトーム解析

○佐藤政充^{1,2}、露崎 隼^{1,3}、岡田直幸¹

(¹早大・先進理工・生命医科学、²早大・構造生物・創薬研、³産総研CDDB-OIL)

14:47 VII-4 出芽酵母の孢子壁に結合するRNAの解析

Yang Yan¹、Song Chaoqun¹、館川宏之^{2,3}、高 暁冬¹、○中西秀樹¹

(¹江南大・生物工程、²東大院・農生科・応生化、³東大・微生物連携機構)

14:59 ~ 15:15 休憩

セッションⅧ：育種・テクノロジー [座長：原 清敬、紀藤圭治]

15:15 VIII-1* リンゴ園からの発酵性酵母の分離と同定

○赤田倫治¹、松下智紀²、原田尚美³、星田尚司¹

(¹山大院・創成科学・化学、²山大・工・応化、³山口市・地域おこし)

15:23 VIII-2 ゲノム編集による泡なし清酒酵母の作出

○大貫慎輔¹、鹿島舞央¹、山田駿一¹、Farzan GhaneGolmohammandi¹、周 延²、五島徹也²、丸山潤一^{3,4}、北本勝ひこ⁵、平田 大^{6,7,8}、赤尾 健²、大矢禎一^{1,4,9}

(¹東大・院新領域、²酒総研、³東大・院農、⁴CRIIM、⁵日薬・薬、⁶朝日酒造、⁷広大・先端研、⁸新潟大・日本酒学センター、⁹OIL)

15:35 VIII-3* 光駆動ATP再生系による出芽酵母型Vmax細胞の創製

○弘埜陽子¹、塩澤優希²、戸谷吉博³、石井 純⁴、柘植謙爾⁴、松田史生³、菊川寛史^{1,2}、原 清敬^{1,2}

(¹静岡県大・食品栄養科学部環境生命科学科、²静岡県大・大学院食品栄養科学研究院、³阪大院・情報・バイオ情報、⁴神戸大院・イノベ)

15:43 VIII-4 ペプチドタグ導入酵母を用いたプロテオーム高感度解析に向けたアプローチ

○紀藤圭治

(明大・生命)

15:55 VIII-5 Target identification using a yeast chemical genomic approach
○Yoko Yashiroda¹, Sheena Li^{1,2}, Hiroyuki Osada¹, Minoru Yoshida^{1,3},
Chad Myers⁴, Charles Boone^{1,2}
(¹RIKEN CSRS, ²Univ. of Toronto, ³Univ. of Tokyo, ⁴Univ. of Minnesota)

16:07 VIII-6* ナショナルバイオリソースプロジェクト (NBRP) 酵母 2019
○中村太郎^{1,2}、北村憲司³、下田 親^{1,2}、金子嘉信⁴、杉山峰崇⁴
(¹大阪市大・院理、²大阪市大・複合先端、³廣大・自然科学研セ、
⁴大阪大・院工)

特別講演

16:15 静岡のお酒について
○勝山 聡
(静岡県工業技術研究所沼津工業技術支援センター)

16:30 ~ 17:30 ポスター発表 (偶数番号)

17:35 ~ 18:05 総会

19:00 ~ 懇親会

◎ポスターは18:00までに必ず撤去してください。

9月6日(金) (*はショートトーク)

(ロングトークは発表9分、ショートトークは発表5分、討論は各3分です。)

セッションⅨ：ストレス応答(Ⅱ)・TOR [座長：谷川美頼、神 唯]

- 9:00 IX-1 ATP恒常性の破綻が引き起こすタンパク質毒性
高稲正勝¹、今村博臣²、○吉田知史³
(¹群馬大・未来先端研、²京都大院・生命科学、³早稲田大国際学術院)
- 9:12 IX-2* 出芽酵母を用いた高濃度トリプトファンによるアミノ酸インバランスの解析
○大橋一登¹、高稲正勝^{1,2}、吉田知史³
(¹群馬大・生体調節研、²群馬大・未来先端研、³早稲田大国際学術院)
- 9:20 IX-3 細胞内グルタミン検知機構の解析
○谷川美頼¹、山本勝良²、前田達哉¹
(¹浜医大・医、²東京大・定量研)
- 9:32 IX-4 tRNAによるトア複合体1 (TOR complex 1) の制御機構解明の試み
○鎌田芳彰^{1,2}
(¹基礎生物学研、²総研大)
- 9:44 IX-5 分裂酵母のTOR複合体1を制御する複数の経路
○福田智行¹、神吉智丈¹、塩崎一裕²
(¹新潟大院・医歯学総合、²奈良先端院大学・バイオサイエンス)
- 9:56 IX-6 分裂酵母Pef1/TORC1シグナル伝達機構の解析
○松田真弥¹、岡久萌菜²、宮本由依³、吉川 潮^{1,2,3}、中嶋昭雄^{1,2,3}
(¹神戸大・バイオシグナル総合研、²神戸大院・農・資源生命科学、³神戸大・農・資源生命科)
- 10:08 IX-7 Edelfosineを用いたTOR複合体2シグナル制御機構の解析
○野村亘^{1,2}、後藤剛^{1,2}、高原照直³、前田達哉⁴、井上善晴⁵
(¹京大院・農・食品生物、²京大・生理化学研究ユニット、³名大院・生命農・応用分子生命科学、⁴浜医大・医・生物、⁵京大院・農・応生科)

- 10:20 IX-8 液胞を介した細胞周期制御機構における Bur1 キナーゼの役割
○神 唯^{1,2}、神奈亜子²、Weisman Lois²、大隅良典¹
(¹東工大院・科学技術創成研究、²Univ. Michigan)
- 10:32 IX-9 ラパマイシンの標的分子FKBP12の出芽酵母における役割
○笠原浩司¹、中山理紗¹、志波 優¹、兼崎 友²、石毛太一郎¹、
吉川博文¹、古久保哲朗³
(¹東農大、²静岡大、³横浜市大)

10:44 ~ 11:00 休憩

セッションX：ケミカルバイオロジー・代謝・寿命 [座長：武田鋼二郎、佐藤亮介]

- 11:00 X-1 抗マラリア薬キナクリンによる出芽酵母の単糖輸送体機能の阻害機構
北川智久、松本惇志、寺島一郎、○上園幸史
(東京大院・理・生物科学)
- 11:12 X-2 真菌の細胞壁に作用する新しい抗真菌薬 Jervine の研究
○久保佳蓮^{1,5}、野田陽一^{2,3}、嶋本康広⁴、富永健一^{4,5}、大矢禎一^{1,3,5}
(¹東京大院・新領域、²東京大院・農・生命科学、
³東京大・微生物科学イノベーション連携研、⁴産総研・触媒化学融合研、
⁵産総研・東大先端オペランド計測技術オープンイノベーションラボ)
- 11:24 X-3 RNA 結合タンパク質 Pumilio によるイノシトールリン脂質代謝経路の
制御
○佐藤亮介、田中千晶、高崎輝恒、杉浦麗子
(近畿大・薬・分子医療・ゲノム創薬学)
- 11:36 X-4 酵母に見出した一酸化窒素の合成制御機構とペントースリン酸回路の
関与
○吉川雄樹、那須野亮、高木博史
(奈良先端院大学・バイオサイエンス)
- 11:48 X-5* 酵母における一酸化窒素合成の新しい解析法
○那須野亮、示野誠也、吉岡奈津子、佐藤裕一、神谷紘平、高木博史
(奈良先端院大学・バイオサイエンス)

- 11:56 X-6 分裂酵母における gas1 変異による寿命延長機構の解析
○島崎嵩史¹、今井優希¹、榎村千尋¹、大塚北斗¹、井原邦夫²、
饗場浩文¹
(¹名古屋大院・創薬科学・分子微生物学、²名古屋大・遺伝子実験施設)
- 12:08 X-7 分裂酵母の経時寿命維持におけるポリリン酸制御の重要性
澤田尚哉¹、上野栞里¹、太田圭佑¹、紙谷竜馬¹、羽原ひな¹、
興梠佑里香¹、○武田鋼二郎^{1,2}
(¹甲南大・理工・生物、²甲南大・統合ニューロバイオロジー研)
- 12:20 ~ 12:35 表彰式 (学生発表賞・会長賞)
- 12:35 閉 会

ポスター発表 (**は学生発表賞エントリー演題)

- P01 静岡県における醸造用酵母の開発
○勝山 聡¹、鈴木雅博¹、天野祥吾²、稲村浩宣³、高嶋一孝⁴、望月正隆⁴、岩原健二¹
(¹静岡県工業技術研究所沼津工業技術支援センター、
²静岡県環境放射線監視センター、³株式会社蔵屋鳴沢、⁴静岡県酒造組合)
- P02** リボソームタンパク質 *RPS13* を利用した酵母の同定と系統解析
○江部 聡¹、小野嵩弘¹、要田紗也加¹、菊田浩希¹、野口翔平¹、湯田翔太¹、松下智紀²、高島昌子^{3,4}、星田尚司¹、赤田倫治¹
(¹山大院・創成科学・化学、²山大・工・応化、³理研・バイオリソ、
⁴明薬科・微生物)
- P03 *Schizosaccharomyces japonicus* の遺伝子大量発現系の開発
○青木敬太、野崎晋五、仁木宏典
(遺伝研・微生物機能)
- P04 ** CRISPR/Cas9 システムを用いた分裂酵母のゲノム編集技術の解析
○李 靖芙¹、佐藤政充^{1,2}
(¹早大・院・生命医科、²早大・構造生物・創薬研)
- P05 分裂酵母における多剤耐性輸送体の発現と細胞成長の一細胞動態解析
○近藤洋平^{1,3}、後藤祐平²、青木一洋^{1,2,3}
(¹生創探、²基生研、³総研大)
- P06 光遺伝学を用いた分裂酵母の細胞機能操作
○後藤祐平、青木一洋
(基生研)
- P07 グルコース制限はスピンドルチェックポイント *Mad1* の機能低下を引き起こす
田部卓磨¹、谷添万里子¹、明吉純花¹、酒井智健¹、川向 誠^{1,2}、○松尾安浩^{1,2}
(¹島根大・生資・生命科学、²島根大・農生命系)
- P08 メタノール資化酵母 *Ogataea polymorpha* の SPB に局在する Ste20 ファミリーキナーゼの解析
○前川裕美
(九大・農・国際)

- P09** 分裂酵母の定常期の移行におけるサイクリン依存性キナーゼの働き
○清田由紀、平岡幹章、野津裕佑、山本 歩
(静大院・総合科学・理)
- P10** 減数分裂におけるキネトコア結合制御機構の体細胞分裂細胞を用いた解析
○岸川敦紀¹、南部将志¹、市川絢登¹、山田貴富²、村上浩士²、山本 歩¹
(¹静大院・総合科学技術・化学、²中央大学・理工・生命科学)
- P11** 減数分裂の染色体の動態制御および分配における Dam1 複合体の機能
○脇谷美鈴、西絵里子、河合信之輔、板橋裕太、勝俣和大、平安亜美、山本 歩
(静大院・総合科学・理)
- P12** 微小管結合タンパク質 Dis1 が脱重合因子として働く可能性を追求する
○村瀬裕一¹、濱田隆宏^{2,3}、佐藤政充^{1,4}
(¹早大院・先進・生医、²岡山理大・理・生物化学、
³科学技術振興機構・さきがけ、⁴早大・構造生物学・創薬研究所)
- P13** 分裂酵母 EB1 ファミリータンパク質 Mal3 の過剰発現で引き起こされる表現型の解析
○田部卓磨¹、川向 誠^{1,2}、松尾安浩^{1,2}
(¹島根大・生資・生命科学、²島根大・農生命系)
- P14** 分裂酵母の細胞形態形成ネットワークによる微小管制御機構の解析
○植田早紀¹、水沼正樹²、平田 大^{2,3}、久米一規²
(¹広大院・先端研・分子生命、²広大院・統合生命、³朝日酒造)
- P15** 分裂酵母におけるアクチン繊維構造の可視化
○徳永苑子、中野賢太郎
(筑波大院・生命環境)
- P16 分裂酵母 *Schizosaccharomyces pombe* の Spa2 の機能ドメインの解析
○細川愛里、多久和泉、中野賢太郎
(筑波大院・生命環境)
- P17** *Schizosaccharomyces pombe* におけるピルビン酸含有糖鎖生合成機構の解析
○福永嵩大¹、樋口裕次郎¹、前川裕美¹、田中直孝²、竹川 薫¹
(¹九大院・生資環、²香川大・農)

- P18 酵母の4種類のCa²⁺輸送体の生理的役割
上原千央¹、柴田あすか¹、浜本 晋¹、笠原 紳²、吉見 啓³、阿部敬悦³、
高木智子⁴、永田典子⁴、○魚住信之¹
(¹東北大・院工、²宮城大・院食産、³東北大・院農、⁴日本女子大)
- P19** 分裂酵母の胞子表面にあるデコボコ構造の形成に関与する遺伝子の特定と解析
○増田大輝¹、田原悠平^{1,2}、宮田真人^{1,2}、中村太郎¹
(¹大阪市大・院理、²大阪市大・複合先端)
- P20** 分裂酵母の巨大なSPBタンパク質Spo15の前胞子膜形成における機能
○新美柊子、石橋尚実、中村太郎
(大阪市大・院理)
- P21 分裂酵母の胞子形成を調節するシグナル経路の解析
○今田一姫^{1,2}、森麻里子¹、落合竜季¹、伊藤碧美¹、中村太郎²
(¹鈴鹿高専・生物応用化学、²大阪市立大・院理)
- P22** *S. pombe*の胞子表層タンパク質Isp3を用いた未知の分泌メカニズムの解明
○吉川佳里奈、中村太郎
(大阪市大・院理)
- P23** PP1結合タンパク質Ysw1の出芽酵母前胞子膜形成における役割
○棟重賢治¹、藤枝祐二¹、須田恭之³、舘川宏之^{1,2}
(¹東大院・農生科・応生化、²東大・微生物連携機構、
³筑波大院・人間総合・生命システム医学)
- P24 出芽酵母減数分裂における膜交通関連オルガネラの再構成
○須田恭之^{1,2}、舘川宏之^{3,4}、中野明彦²、入江賢児¹
(¹筑波大・医学医療系、²理研・光量子工学、³東大院・農生科・応生化)
- P25** *Saccharomyces cerevisiae*の細胞膜におけるリン脂質の局在と機能の解析
林 透真¹、○古尾谷南沙¹、水池 彩¹、堀内裕之^{1,2}、福田良一^{1,2}
(¹東大院・農生科・応生工、²東大・微生物連携機構)

- P26 酵母 *Yarrowia lipolytica* における *n*-アルカンへの吸着と細胞形態に関する研究
 ○高橋直熙¹、石丸千晶¹、岩間 亮¹、渡邊夏仁¹、志波 優^{2,3}、兼崎 友³、
 堀内裕之^{1,4}、福田良一^{1,4}
 (¹東大院・農生科、²東農大・生命科学、³東農大・生物資源ゲノム解析セ、
⁴東大・微生物連携)
- P27** 分裂酵母におけるリン脂質ホスファチジルイノシトール合成酵素 *Pis1* の機能解析
 ○直塚豪気¹、川向 誠^{1,2,3}、松尾安浩^{1,2,3}
 (¹島根大院・自然科学、²島根大・生資・生命科学、³島根大・農生命系)
- P28** フェロモン応答経路の破綻は、複合スフィンゴ脂質合成阻害剤 *aureobasidin A* に
 対する抵抗性を付与する
 ○柳瀬由起美、瓜田敦哉、谷 元洋
 (九大院・理・化学)
- P29** 糖脂質リモデリングによる GPI アンカー蛋白質のソーティング機構
 ○荒木美彩子¹、池田敦子²、中の三弥子¹、Sofia Rodriguez-Gallardo³、
 Susana Sabido-Bozo³、Manuel Muñiz³、船戸耕一^{1,2}
 (¹広島大院・統合生命、²広島大院・生物圏、³University of Seville)
- P30** 出芽酵母フリッパーゼの細胞膜受容体のリサイクリングにおける必要性
 ○伊藤卓馬¹、中山怜美¹、長野 真¹、十島純子^{1,2}、十島二郎¹
 (¹東京理大・基礎工・生物工、²東京工科大・医療保健)
- P31** 酵母エンドサイトーシスにおける Rho エフェクタータンパク質 *Formin* によるア
 クチン細胞骨格の制御
 ○石川百花¹、燕昇司万里子¹、長野 真¹、十島純子^{1,2}、十島二郎¹
 (¹東京理科大学・基礎工・生物工、²東京工科大学・医療保健)
- P32** 受容体エンドサイトーシスにおける PI (4) P ホスファターゼの必要性
 ○諏訪園真大¹、木賀田彩加¹、加々美瑠衣¹、長野 真¹、十島純子²、十島二郎¹
 (¹東京理科大・基礎工・生物工、²東京工科大・医療保健)
- P33** エンドサイトーシスにおけるクラスリン小胞の形成および輸送における *Srv2p*-
 プロフィリン-コフィリンの協調的役割
 ○渡辺みなみ¹、松澤みのり¹、長野 真¹、十島純子^{1,2}、十島二郎¹
 (¹東京理科大・基礎工・生物工、²東京工科大・医療保険)

- P34** 酵母PI4キナーゼStt4pの機能欠損による細胞内小胞輸送への影響
○佐野智紀¹、和田 卓¹、山本 航¹、長野 真¹、十島純子^{1,2}、十島二郎¹
(¹東京理大・基礎工・生物工、²東京工科大・医療保健)
- P35** 酵母Bro1ファミリータンパク質のVドメインとYP (X) nLモチーフタンパク質との特異的相互作用の解析
○浅川琴美、木村洋子
(静大院・総合科学技術・農)
- P36 出芽酵母の小胞体シグナルペプチド非依存的タンパク質輸送機構
森脇 佑¹、金子昌史²、菊地啓吾¹、○細見 昭²
(¹信大・農・生命機能、²信大院・総合理工)
- P37** ユビキチン過剰発現によるシグナルペプチダーゼ複合体サブユニットSpc2変異体の高温感受性の回復
○吉川宗孝¹、増田 亮¹、森内良太²、道羅英夫²、木村洋子¹
(¹静大院・総合科学技術・農学、²静大・グリーン研)
- P38** 分裂酵母のロンボイドプロテアーゼRbd4はタンパク質輸送に影響する
○松浦汐里、東 玲那、野村勇太、渋谷大介、田淵光昭、田中直孝
(香川大・農)
- P39 Atg8による液胞膜ホメオスタシス制御機構の解明
石井彩音¹、黒川量雄²、小山 彩¹、堀田美友¹、吉崎涼香¹、栗田真紀¹、中野明彦²、○木村洋子¹
(¹静岡大・農、²理研・光量子工学研究センター)
- P40 Ykt6とNyv1の液胞輸送経路における機能重複
浦野真吾、久保優里花、五味勝也、○新谷尚弘
(東北大院・農)
- P41 液胞内リパーゼAtg15は二つの機能ドメインからなる
○平田恵理¹、白井 亨¹、河岡辰弥¹、児玉史人¹、鈴木邦律^{1,2}
(¹東大院・新領域、²東大院・生命データサイエンスセンター)

- P42** リン酸取り込み制御に関わる E3 リガーゼ Pqr1 欠損が引き起こすオートファジー依存的タンパク質分解異常
○澤田尚哉、上野葉里、神崎さやか、武田鋼二郎
(甲南大学大学院自然科学研究科・生物学専攻)
- P43** 分裂酵母の胞子成熟におけるオートファジーの役割
○張 博文¹、中村珠子²、鍵和田聡²、中村太郎¹
(¹大阪市大・院理、²奈良女子大・理)
- P44** 出芽酵母でのリボファジー分解の実態の解析
○久保田満聖¹、Talukdar Muhammad Waliullah²、丑丸敬史^{1,2}
(¹静大・理生、²静大院・バイオサイエンス)
- P45** メタノール資化性酵母 *Komagataella phaffii* ペキシファジー欠損変異株の FACS スクリーニング系の確立
○中村元春、阪井康能
(京大院・農)
- P46** AGC-family kinase Sch9 involved in the ESCRT-dependent microautophagy
○Shamsul Morshed¹, Md. Golam Mostofa¹, Mashu Terasawa²,
Tasnuva Sharmin¹ and Takashi Ushimaru^{1,2}
(¹Grad. Sch. Sci. and Tech., ²Dept. Sci., Shizuoka Univ.)
- P47** PP2A protein phosphatase regulates microautophagy
○Tasnuva Sharmin¹, Shamsul Morshed¹ and Takashi Ushimaru^{1,2}
(¹Grad. Sch. Sci. and Tech., ²Dept. Sci., Shizuoka Univ.)
- P48 TOR 複合体活性により酵母 Ade4 の細胞内顆粒が形成されるメカニズムの解明
○高稲正勝^{1,2}
(¹群馬大学未来先端研究機構、²群馬大学生体調節研究所 細胞シグナル分野)
- P49** 高浸透圧ストレス下における Sch9 のドット構造の果たす役割
○藤井瑠唯¹、武田英吾²、松浦 彰³
(¹千葉大・院融合理工、²東工大・科学技術創成研究院、³千葉大・院理学)
- P50** タンパク質毒性ストレスによる TORC1 局在移動の機構解析
○秋月亮磨、金子敦稀、丑丸敬史
(静岡大院・総合科学技術・理学)

- P51** DNAダメージストレスは出芽酵母TORC1の液胞膜上局在を変化させる
 ○勝田晴子¹、尾崎稜太²、丑丸敬史^{1,2}
 (¹静大・理、²静大院・理)
- P52** TORC1下流因子Yob1によるトリプトファン輸送体Tat2の制御機構の解析
 ○小池直暉¹、大長克江²、丑丸敬史^{1,2}
 (¹静大院・バイオサイエンス、²静大院・理学)
- P53 ストレスに応答したリボソーム分解機構の解析
 ○西 晃平¹、山田陸翠¹、赤川博文¹、陣内 凱¹、島日佳理¹、日高真誠^{1,2}、
 葛山智久^{1,2}、小川哲弘^{1,2}
 (¹東大院・農生科・応生工、²CRIIM)
- P54 リボソーム分解に関わる普遍的リボヌクレアーゼの機能解析
 ○山田陸翠¹、西 晃平¹、赤川博文¹、陣内 凱¹、島日佳理¹、日高真誠^{1,2}、
 葛山智久^{1,2}、小川哲弘^{1,2}
 (¹東大院・農生科・応生工、²CRIIM)
- P55 高濃度エタノールストレス下における*BTN2*の優先的発現機構の解析
 ○福田志津、石田陽子、井沢真吾
 (京都工芸繊維大・応用生物)
- P56** 高濃度エタノールストレス下のプロテオスタシスと適応誘導機構の解析
 ○吉田雅徳、加藤沙枝、井沢真吾
 (京都工芸繊維大・応用生物)
- P57** 高濃度エタノールストレスによるRps6A/6Bの脱リン酸化とTORC1の関与
 ○石川 優、井沢真吾
 (京都工芸繊維大・応用生物)
- P58 韓国伝統的麴*Nuruk*から単離された酵母*Pichia kudriavzevii* N77-4のエタノール
 ストレス適応機構の解析と適応能力の改良
 松下青葉¹、深谷 健¹、村山亮太¹、石田 圭¹、Ji-young Moon²、
 Seong Yeol Baek²、Soo-Hwan Yeo²、○杉山峰崇¹
 (¹阪大院・工、²NIAS・RDA)

- P59 酵母メタノール誘導時のP-body構成因子Pat1の役割
○由里本博也、幅田亜香莉、阪井康能
(京大院農・応用生命)
- P60 *Saccharomyces cerevisiae*の糖質飢餓応答に関わる分子機構の解析
○梅川碧里¹、澤口和奈²、不破茉綸²、白石大貴²、荻田修一¹
(¹三重大院・生資、²三重大・生資)
- P61** PKCがストレス顆粒へ移行するメカニズムの探索
○富本尚史、神田勇輝、佐藤亮介、高崎輝恒、杉浦麗子
(近畿大・薬)
- P62** 分裂酵母に特有なアルカリストレス応答経路の解析
○森日香里、樋口裕次郎、竹川 薫
(九大院・生資環)
- P63** 複合スフィンゴ脂質生合成破綻下におけるRas/cAMPとHOG経路のクロストーク
○瓜田敦哉、柳瀬由起美、谷 元洋
(九大院・理・化学)
- P64** ジヒドロスフィンゴシンはミトコンドリア活性酸素種の増大を介して細胞死を引き起こす
○有田頌彬、坂本理沙、谷 元洋
(九大院・理・化学)
- P65** 複合スフィンゴ脂質代謝破綻下で細胞救済に寄与する因子の解析
○坂本理沙、瓜田敦哉、谷 元洋
(九州大院・理・化学)
- P66** eisosomeに存在するPil1とSur7-familyタンパク質の欠損は細胞内ROSの蓄積を引き起こす
○坂田健太郎¹、橋井圭介¹、田原悠平²、宮田真人²、田中直孝¹、田淵光昭¹
(¹香川大・農・応用生物、²大阪市立大・院理・生物地球系)
- P67** 白神こだま酵母由来の胞子クローンの高い冷凍耐性にHsp104は関与するのか？
○福田まみ¹、浅内由佳²、芦崎瑞稀²、柴田友香莉²、高橋慶太郎³、中沢伸重^{1,2}
(¹秋田県大・院・生資、²秋田県大・生資、³秋田総食研)

- P68 カドミウム存在下における醸造酵母の放射線感受性
清田俊治¹、○岸田正夫²、古田雅一¹
(¹阪府大院・工、²阪府大院・生環)
- P69** 酵母におけるS-ニトロソ化修飾を介したNOの生理機能
○示野誠也、吉川雄樹、那須野亮、高木博史
(奈良先端大・バイオ)
- P70** 分裂酵母のポリアミン生合成経路におけるアグマチナーゼの解析
○田中寛大、石田麻里絵、青木克幸、田淵光昭、田中直孝
(香川大・農・応用生物)
- P71** 分裂酵母のPos5がCoQ生合成に与える影響の解析
○西原昇瑚¹、西田郁久²、柳井良太²、戒能智宏^{1,2,3}、川向 誠^{1,2,3}
(¹島根大院・自然科学、²島根大・生物資源、³島根大・農生命科学系)
- P72** 分裂酵母*pkal*欠損株で発現上昇する因子の探索および解析
○稲村真一¹、田部卓磨²、川向 誠^{1,2,3}、松尾安浩^{1,2,3}
(¹島根大院・自然科学、²島根大・生資・生命科学、³島根大・農生命系)
- P73 メタノール資化性酵母*Ogataea minuta*におけるアルコールオキシダーゼ遺伝子
*AOX1*の発現解析
○横尾岳彦¹、吉原瑛梨奈^{1,2}、小松崎亜紀子¹、梅村真理子²、千葉靖典¹
(¹産総研・創薬基盤、²東薬大・生科)
- P74** *Komagataella phaffii* メタノール誘導性遺伝子発現の脱抑制過程の解析
○竹谷友之、由里本博也、阪井康能
(京大院農・応用生命)
- P75 分裂酵母のRed1による減数分裂転写産物の選択的分解機構
七野悠一、大坪瑤子、山本正幸、○山下 朗
(基礎生物学研究所)
- P76 出芽酵母におけるIc-tRNAの機能に関する解析
○林紗千子¹、七野悠一²、岩崎信太郎^{2,3}、吉久 徹¹
(¹兵庫県立大院・生命理学、²理研、³東大・新領域)

- P77** 分裂酵母*fbp1* 遺伝子上流領域における転写因子結合機構の解明
○幸田和佳奈、廣田耕志
(首都大学東京・理学研究科)
- P78 非コードRNA転写によるDNA超螺旋構・クロマチン構造の制御
浅田隆大^{1,2}、千松賢史¹、○廣田耕志¹
(¹首都大院・理、²(現) UCデービス)
- P79 Rad52の画像解析を利用してin vivoでのガイドRNAの機能性を評価する
○岡田 悟、中川志都美、伊藤隆司
(九大・院・医・医化学)
- P80 SUMO-SIM相互作用を介した分裂酵母のテロメア長制御
今野あや¹、藤田紗瑛¹、川上 慶¹、林 亜紀^{1,2}、○田中克典¹
(¹関学大・理工、²(現) 基生研・クロマチン制御)
- P81 減数分裂期コヒーシを介した染色体高次構造形成機構の解析
○作野剛士、平岡 泰
(阪大・生命機能研究科・細胞核ダイナミクス)
- P82 DNA 損傷部位-核膜孔複合体間相互作用の損傷誘導的コヒージョンへの関与
○尾間由佳子^{1,2}、折原行希¹、高橋大輔^{1,3}、小西辰紀¹、原田昌彦¹
(¹東北大・院農・分子生物、²学振特別研究員 (RPD)、³学振特別研究員 (DC1))
- P83** 出芽酵母のG1期におけるTORC1不活性化に誘導されるrDNA凝縮の分析
○武市有莉、丑丸敬史
(静大院・総・理)
- P84 出芽酵母における栄養源飢餓に応答したrDNAの局在移動に関する解析
○丑丸敬史^{1,2}、Md. Golam Mostofa¹、Shamsul Morshed¹、芝田 律²
(¹静大院・創造、²静大・理)
- P85** 分裂酵母の核小体動態の解析
○澤井謙吾、高山雄輝、粟津暁紀、上野 勝
(広大院・統合生命科学)

- P86** 出芽酵母における異常な核小体タンパク質の分解様式の解析
○伊藤綺更、芝田 律、丑丸敬史
(静岡大・理)
- P87** 核膜タンパク質による核内因子の動態制御機構の解析
○伊藤航希、高山雄揮、粟津暁紀、上野 勝
(広大院・統合生命)
- P88** 出芽酵母の生育アッセイを利用したラミノパシー治療薬探索スクリーニング系の構築
○菊地啓吾¹、細見 昭²
(¹信大・農・生命機能、²信大院・総合理工)
- P89** 分裂酵母の核サイズ制御に関わるキナーゼの機能解析
○中垣裕作¹、水沼正樹²、久米一規²
(¹広大院・先端研・分子生命、²広大院・統合生命)
- P90** 出芽酵母の細胞集団中に含まれる巨大細胞の解析
○福井理沙子¹、史 文聡¹、大貫慎輔¹、大矢禎一^{1,2,3}
(¹東大院・新領域、²CRIIM、³OIL)
- P91** セルソータを使った老化細胞の形態解析
○史 文聡¹、大貫慎輔¹、北川英里子²、濱崎恒二²、水沼正樹³、大矢禎一^{1,4,5}
(¹東大院・新領域、²東大・大気海洋、³広大院・統合生命、⁴CRIIM、⁵OIL)
- P92** 出芽酵母の寿命延長に関与する Ssg1 の機能解析
○益村晃司¹、金井宗良²、久米一規³、水沼正樹³
(¹広大院・先端研、²酒総研、³広大院・統合生命)
- P93** 出芽酵母のポリリン酸ホスファターゼによる分裂寿命制御
○梅田知晴、中島俊雄、向由起夫
(長浜バイオ大院、バイオサイエンス)
- P94** 出芽酵母のチアミンによる分裂寿命制御
○中島 俊雄、向由起夫
(長浜バイオ大院、バイオサイエンス)

P95** アミノ酸枯渇に応答する分裂酵母の経時寿命延長因子 Ecl1 Family 遺伝子の解析
○佐藤哲平、大塚北斗、加藤敬典、島崎嵩史、饗場浩文
(名大院・創薬)