

ポスター発表

P-1	饗場 浩文	名大院・生命農学	ArcAは大腸菌鞭毛合成遺伝子群の発現に必要である
P-2	朝倉 陽子	味の素	<i>E. coli</i> における制限修飾系遺伝子によって引き起こされる細胞死のトランスクリプトーム解析
P-3	麻田 道雄	九大院・システム生命	開始コドン 3' 側の領域にアデニンが高い頻度で見られる微生物種、及び、遺伝子の機能についての解析
P-4	跡見 晴幸	京大院・工	Type III Rubiscoが機能する新規代謝系の同定
P-5	尼子 克己	神戸学院大・栄養	酵母のアスコルビン酸アナログ合成系と植物のアスコルビン酸合成系の対応関係
P-6	荒木 直人	長岡技科大院・工	PCB分解菌RHA1株におけるグルコースによるビフェニル分解遺伝子群の転写抑制
P-7	Yee Lii mien	埼玉大院・理工学	枯草菌SPβ及びSP10ファージのゲノム解析
P-8	井口 純	宮崎大・フロンティア科学実験総合セ	多系統大腸菌に分布するO55抗原合成オペロンの解析
P-9	池内 昌彦	東大院・総合文化	光合成アンテナ超複合体フィコビリソームの構造多様性と光化学系との相関
P-10	池田 成志	製品評価技術基盤機構	<i>Streptomyces</i> 属におけるキチナーゼ遺伝子多様性解析
P-11	石川 周	奈良先端大学院・情報科学	枯草菌ゲノム上でのDnaA結合部位の分布
P-12	石川 淳	国立感染症研	石油分解菌 <i>Cycloclasticus</i> sp. S-4のゲノム解析
P-13	石田 雄士	法政大学・生命機能	大腸菌全転写因子の調節機能解明: PdhRとYhfRの機能解明
P-14	石塚 量見	東大院・総合文化	シアノバクテリオクロム TePixJ の機能・構造解析
P-15	板倉 学	東北大院・生命	ダイズ根粒菌超反復配列保有(HRS)株と通常(non-HRS)株のゲノム構造比較
P-16	井筒 香織	阪大・微研	DNAマイクロアレイを用いたO3:K6血清型腸炎ビブリオの比較ゲノム解析
P-17	稲垣 美香	アプライドバイオシステムズジャパン	Recent Improvements in SOLiD Sequencing Chemistry
P-18	井上 哲圭	岡山大院・医歯薬	大腸菌のswarming運動関与遺伝子のゲノムワイドスクリーニング
P-19	今井 建策	ジナリス	化合物一斉解析システム Metalys2 の微生物メタボロームへの応用
P-20	今清水 正彦	東大・分生研	シアノバクテリアにおける基本転写装置の構造・機能の特徴
P-21	岩崎 秀雄	早大・理工	シアノバクテリア <i>S. elongatus</i> の概日遺伝子発現と明暗応答
P-22	岩下 智昭	信州大・繊維	枯草菌細胞壁溶解酵素に結合するYoeBタンパク質の発見と解析
P-23	内山 郁夫	基礎生物学研	大規模比較ゲノムワークベンチ RECOGの開発
P-24	浦和 博子	製品評価技術基盤機構	環境試料を用いたPCRにおける高度好熱菌 <i>Thermus thermophilus</i> RecA蛋白質の効果
P-25	海野 佑介	北大院・農	シロバナルーピンが土壤微生物にあたる根圏効果の解析に向けたメタゲノム的アプローチ
P-26	得平 茂樹	埼玉大・理	シアノバクテリアにおける細胞分化を制御する分子カスケードの解明
P-27	大熊 盛也	理研・環境分子生物	メタトランスクリプトーム解析によるシロアリ腸内原生生物群の主要代謝
P-28	大島 健志朗	北里大・北里生命研	ヒト腸内常在大腸菌のゲノム解析
P-29	太田 潤	岡山大院・医歯薬	生物ネットワーク情報の行列表現とその代謝ネットワークへの応用
P-30	大坪 嘉行	東北大院・生命科学	<i>Burkholderia multivorans</i> ATCC 17616株のゲノミックアイランドの同定と解析
P-31	大野 真人	九大院・農	マイクロアレイの発現データからのウェルシュ菌のオペロン予測
P-32	大山 彰	インシリコバイオロジー	IMC AE: 微生物タイピングアレイ実験結果の閲覧・解析ソフトウェア
P-33	岡本 忍	かずさDNA研	ラン藻ゲノムデータベースのアノテーション高度化と情報統合
P-34	小川 倫洋	京都薬大・微生物	Multi-locus sequence typing (MLST)法による多剤耐性緑膿菌(MDRP)の分子系統解析
P-35	小倉 光雄	東海大・海洋研	枯草菌のリン酸化型DegUによる標的遺伝子制御機構

P-36	小椋 義俊	宮崎大・フロンティア科学実験 総合セ	腸管出血性大腸菌ゲノムの比較解析
P-37	小山内 崇	東大・分生研	シアノバクテリアグループ2シグマ因子SigEとMg-キラーゼH-サブユニットChIHのMg ²⁺ 濃度依存的相互作用
P-38	長名 保範	慶應大・理工	比較ゲノム解析ツール Murasaki の微生物ゲノムへの応用
P-39	垣内 力	東大院・薬	新規DNA結合タンパク質SarZは黄色ブドウ球菌の病原性に寄与する
P-40	加藤 潤一	首都大院・理工	大腸菌の染色体大規模欠変異株の作製とその性質
P-41	加藤 文紀	広島大院・医歯薬	黄色ブドウ球菌二成分制御機構遺伝子の網羅解析
P-42	加藤 雅樹	製品評価技術基盤機構	ドメインのネットワークを利用した自動機能アノテーション
P-43	金子 貴一	かずさDNA研	イネエンドファイトのゲノムシーケンズプロジェクト
P-44	兼崎 友	東大・分生研	原始紅藻 <i>Cyanidioschyzon</i> におけるテトラピロール誘導性遺伝子の解析
P-45	川原田 泰之	東北大院・生命科学	ミヤコグサ根粒菌 <i>Mesorhizobium loti</i> のペリプラズムグルカン合成に関与する遺伝子の同定と宿主植物との共生能における役割
P-46	金 相完	九大・生物資源環境科学府	二成分制御系に関わるセンサータンパク質とレギュレータータンパク質のドメイン構造に基づく分類
P-47	木村 聡	埼玉大・理	糸状性ラン藻 <i>Anabaena</i> sp. PCC 7120におけるレスポンスレギュレーターOrrAの機能解析
P-48	楠屋 陽子	奈良先端大学院・情報科学	転写伸長複合体に特異的に結合する転写伸長因子NusAの枯草菌ゲノム上での分布
P-49	工藤 洋平	東北大院・農	麹菌の DNA ligase IVホモログ(ligD)遺伝子破壊による高頻度相同組換え宿主の造成
P-50	倉光 成紀	理研・播磨研、阪大院・理	高度好熱菌 <i>Thermus thermophilus</i> HB8 の構造・機能ゲノム科学の進捗状況
P-51	黒川 健児	東大院・薬学	黄色ブドウ球菌の環境適応における細胞膜リン脂質のリジル化の役割
P-52	見理 剛	国立感染症研	<i>Mycoplasma pneumoniae</i> の全ORFのクローンの作製と網羅的タンパク質局在分析への利用
P-53	小菅 武英	国立遺伝研・生命情報・DDB J研究セ	GTPS (Gene Trek in Prokaryote Space): 共通プロトコルに基づくバクテリアゲノムからの遺伝子探索
P-54	古園 さおり	理研・環境分子生物	枯草菌マルチ遺伝子型Na ⁺ /H ⁺ 対向輸送体をコードする <i>sha</i> 遺伝子産物の複合体形成とイオン結合部位
P-55	児玉 武子	花王、信州大院・総合工学	枯草菌AprXプロテアーゼは細胞増殖の定常期後期に異種分泌タンパク質を分解する
P-56	後藤 直正	京都薬大・微生物	日和見感染菌 <i>Serratia marcescens</i> (セラチア)のポストゲノム配列研究ーヒト血清耐性因子および病原因子の検索-
P-57	小松澤 均	広島大院・医歯薬	黄色ブドウ球菌の増殖過程における網羅的遺伝子発現解析および菌株間での発現比較
P-58	斉藤 仁浩	インシリコバイオロジー	MetaGenomeGAMBLER: メタゲノムプロジェクトを支援するソフトウェア
P-59	坂寄 輔	筑波大・生命環境	ラン藻のHik33の活性化因子Ssl3451の変異株の解析
P-60	佐々木 裕子	国立感染症研	マイコプラズマ抗原についてのプロテオミクス
P-61	佐藤 勉	東京農工大・共生科学技術研究院	枯草菌の転写制御因子YofAによる細胞分裂制御
P-62	下平 潤	長岡技科大院・工	<i>Rhodococcus</i> sp. RHA1におけるビフェニル/PCB分解遺伝子群転写制御機構の解明
P-63	肖 ジェ	東大院・農学生命	培地中へのアミノ酸添加によるC1代謝産物の飢餓誘導
P-64	新垣 隆資	岡山大院・医歯薬	分岐鎖脂脂肪酸の細菌増殖阻害ならびに運動性抑制作用
P-65	新谷 政己	東大・生物生産工学研	IncP-7群カルバゾール分解プラスミドpCAR1のモデル環境中での挙動解析
P-66	杉山 友彦	阪大・微研	腸炎ビブリオPathogenicity Islandの領域決定とその特徴付け
P-67	鈴木 耕大	奈良先端大学院・バイオサイ エンス	中度好塩性細菌 <i>Halomonas elongata</i> における環境応答性遺伝子のゲノムアレイ解析
P-68	鈴木 裕太	奈良先端大学院・バイオサイ エンス	中度好塩性細菌 <i>Halomonas elongata</i> OUT30018株の金属結合タンパク質の探索と重金属浄化への応用
P-69	曾田 匡洋	Dept of Biological Sciences, Univ of Idaho	IncP-1プラスミドの宿主細胞への適応メカニズム

P-70	高橋 裕里香	東大・生物生産工学研	同一のカルバゾール分解プラスミドを保持する異種 <i>Pseudomonas</i> 属細菌間におけるカルバゾール代謝能の差異
P-71	田口 温子	国立遺伝学研・系統生物セ	大腸菌の核様体形態変化からバクテリアの染色体分配機能を探る
P-72	藤 英博	北里大・北里生命研	キジラミ共生細菌カルソネラの比較ゲノム解析
P-73	豊田 敦	理所・ゲノム科学総合研究セ	GS20システムを用いた微生物ゲノム解析
P-74	内藤 邦彦	東大・生物生産工学研	カルバゾール分解プラスミドpCAR1にコードされるMvaT family転写制御因子Pmrlに関する研究
P-75	内藤 真理子	長崎大院・医歯薬	<i>Porphyromonas gingivalis</i> ATCC33277株の全ゲノム塩基配列決定
P-76	永井 武志	埼玉大院・理工	<i>Cyanidium caldarium</i> RK-1株の色素体ゲノムの塩基配列の解析
P-77	中川 智	ザナジェン	メタゲノム解析からの有用遺伝子探索
P-78	中川 聡	海洋機構・極限環境	深海底熱水孔環境に優占する化学合成独立栄養細菌epsilon-Proteobacteriaのゲノム解析
P-79	長田 真規子	東大院・薬学	新規病原性因子CvfAの分子機能の解析
P-80	中東 憲治	慶應大・先端生命科学研	P1ファージによるハイスループット形質導入システムの開発
P-81	仲山 英樹	奈良先端大学院・バイオサイエンス	中度好塩性細菌 <i>Halomonas elongata</i> OUT30018株のゲノム情報を活用した細胞表層工学技術の開発と重金属浄化への応用
P-82	七宮 英晃	愛媛大・無細胞センター	コムギ胚芽無細胞タンパク質合成法を活用した枯草菌新奇ppGpp合成酵素の機能解析
P-83	西田 洋巳	東大院・農学生命科学	9塩基密度タイリングアレイを用いたプラスミド発現産物の網羅的検出の有用性
P-84	西山 依里	東北大院・生命科学	IVET法を用いた環境細菌 <i>Burkholderia multivorans</i> ATCC 17616株の土特異的遺伝子の同定と解析
P-85	布浦 拓郎	海洋機構・極限環境	菱刈金山地下熱水環境に優占する未培養好熱性 <i>Crenarchaeota</i> ゲノムの解析
P-86	馬場 知哉	奈良先端大学院・バイオサイエンス	Diguanylate Cyclaseによる病原性大腸菌O-157のバイオフィーム形成の制御
P-87	平畠 壮規	国立遺伝学研・生命情報・DD BJ研究セ	微生物およびウイルスの比較ゲノムのためのシステム構築
P-88	蒔田 由布子	理所・ゲノム科学総合研究セ	Hon-yaku: a biology-driven Bayesian methodology for identifying translation initiation sites in prokaryotes
P-89	松崎 邦彦	埼玉大院・理工	枯草菌のストレス応答シグマ因子の多重欠失株の構築と解析
P-90	松本 靖彦	東大院・薬	CvfBタンパク質のpoly(U)結合活性は黄色ブドウ球菌の毒素産生に必要である
P-91	三浦 史仁	東大院・新領域	完全長cDNAとUTゲノムブラウザによる出芽酵母ゲノム発現の統合解析
P-92	皆川 周	京都薬大・微生物	宿主環境への細菌の適応に関与する共通遺伝子群の探索
P-93	宮腰 昌利	東大・生物生産工学研究セ	タイリングアレイによるカルバゾール分解プラスミドpCAR1のトランスクリプトーム解析
P-94	村瀬 一典	宮崎大・フロンティア科学実験総合セ	病原性大腸菌におけるRTX様蛋白質の比較解析
P-95	森田 英利	麻布大・獣医	プロバイオティクス細菌 <i>Lactobacillus reuteri</i> の抗菌物質生産のin vivo証明と比較ゲノム解析
P-96	安井 一将	岐阜大院・連農	<i>Bifidobacterium adolescentis</i> ATCC15703の制限酵素系の解析
P-97	矢野 晃一	埼玉大院・理工学	Digoxigeninを用いたnon-RI in vitro transcription systemの構築
P-98	山崎 和子	宮崎大・フロンティア科学実験総合セ	ウシの趾乳頭腫症 (PDD) 起因菌の解析
P-99	山本 兼由	近畿大・農	嫌気条件でクエン酸に反応する大腸菌センサーキナーゼCitAの活
P-100	湯原 悟志	東北大院・生命科学	セバシア菌 <i>Burkholderia multivorans</i> ATCC 17616株における包括的転写制御因子Furに関する研究
P-101	和辻 智郎	日大・生物資源科学	<i>Symbiobacterium thermophilum</i> の共生依存的なTrp代謝とその増殖促進効果

