

ポスター発表 プログラム

ポスター発表 討論(奇数)

3月6日(水) 16:05 ~ 17:05

ポスター発表 討論(偶数)

3月7日(木) 15:55 ~ 16:55

ポスター発表

- P-001** 枯草菌の新規溶原性ファージの探索と標的 *attB* の解析
(St1-01) ○宮寄 悠貴¹⁾、鈴木 祥太²⁾、佐藤 勉^{1,2)}
1)法政大学大学院 理工学研究科 生命機能学専攻、2)法政大学 マイクロ・ナノテクセンター
- P-002** Comparative genome and methylome analysis reveals the restriction-modification system diversified through phage acquisition in *Streptococcus pyogenes*
○大田 篤¹⁾、西内 由紀子¹⁾、丸山 史人²⁾
1)大阪市立大学 医学部 附属刀根山結核研究所、
2)京都大学大学院医学研究科 感染・免疫学講座 微生物感染症学
- P-003** ゲノム比較による *Bradyrhizobium* 属根粒菌の宿主特異性決定機構の解明
今野 勇希¹⁾、○菅原 雅之¹⁾、大坪 嘉行¹⁾、根本 智行²⁾、三井 久幸¹⁾、南澤 究¹⁾
1)東北大学 大学院生命科学研究所、2)石巻専修大学 理工学部
- P-004** *Bradyrhizobium* 属根粒菌の共生アイランドにおける IS 介在型欠失
○嵐田 遥、大竹 遥、菅原 雅之、三井 久幸、南澤 究
東北大学 生命科学研究所 微生物共生分野
- P-005** 全自動培養システムを用いた多種ストレス環境下における大腸菌の大規模実験室進化
(St1-02) ○前田 智也¹⁾、岩澤 諄一郎²⁾、堀之内 貴明¹⁾、阪田 奈津枝¹⁾、小谷 葉月¹⁾、川田 正子¹⁾、田邊 久美¹⁾、古澤 力^{1,2)}
1)理化学研究所生命機能科学研究センター、2)東京大学理学系研究科物理学専攻
- P-006** 枯草菌における機能改変による RecA の相同配列認識機構の解析
(St2-01) ○田中 竣平、朝井 計
東京農業大学応用生物科学部
- P-007** 大規模ゲノム変異で解き明かすバクテリアゲノムの可塑性
(St1-03) ○河野 暢明^{1,2)}、武田 知己³⁾、増田 貴宏²⁾、富田 勝^{1,3)}、荒川 和晴^{1,3)}
1)慶應義塾大学先端生命科学研究所、2)慶應義塾大学大学院政策・メディア研究科、
3)慶應義塾大学環境情報学部
- P-008** tRNA 遺伝子の系統特異性の検出
○柳田 駿介¹⁾、井口 八郎²⁾、武藤 昱³⁾、山田 優子¹⁾、池村 淑道⁴⁾、阿部 貴志¹⁾
1)新潟大・工、2)吉田生物研究所、3)弘前大・農、4)長浜バイオ大
- P-009** 異なる生産経路が枯草菌メンブレンベシクルの性質に与える影響
(St1-04) ○相馬 隆光¹⁾、山本 達也²⁾、尾花 望^{3,4)}、野村 暢彦^{2,4)}、豊福 雅典^{2,4)}
1)筑波大学大学院 生命環境科学研究科、2)筑波大学 生命環境系、
3)筑波大学 医学医療系トランスポーター医学研究センター、4)微生物サステナビリティ研究センター
- P-010** 変異による適応度貢献のゲノム縮小に伴う増加
(St2-02) ○黒川 真臣¹⁾、瀬尾 茂人²⁾、小椋 義俊³⁾、林 哲也³⁾、應 蓓文¹⁾
1)筑波大・生命環境、2)阪大院・情報、3)九大院・医
- P-011** 外来メチル化酵素による枯草菌ゲノム DNA メチル化
(St1-05) ○高畠 睦輝
東京農業大学応用生物科学部

- P-012** (St2-03) **DnaA-oriCに依存しないシアノバクテリア *Synechocystis* sp. PCC 6803の複製開始機構**
○山崎 脩平¹⁾、青柳 智大¹⁾、荷村 かおり¹⁾、兼崎 友²⁾、大林 龍胆³⁾、渡辺 智¹⁾
1)東京農業大学大学院農学研究科バイオサイエンス専攻、2)静岡大学グリーン科学技術研究所、3)国立遺伝学研究所
- P-013** **合成生態系における藻類・細菌間の種間関係の進化と大腸菌の全ゲノム解析**
○安部 雄一¹⁾、坪井 睦枝²⁾、松浦 正幸¹⁾、藤川 佳之¹⁾、松本 沙千²⁾、堀澤 栄³⁾、佐久間 洋¹⁾、中島 敏幸¹⁾
1)愛媛大学大学院 理工学研究科、2)愛媛大学 理学部、3)高知工科大学大学院 工学研究科
- P-014** (St2-04) **プラスミドインテグレーションにより駆動するシアノバクテリアDNA複製開始機構**
○青柳 智大¹⁾、山崎 脩平¹⁾、兼崎 友³⁾、荷村 かおり¹⁾、大林 龍胆^{1,2)}、渡辺 智¹⁾
1)東京農業大学大学院バイオサイエンス専攻、2)国立遺伝学研究所、3)静岡大学グリーン科学技術研究所
- P-015** **連続塩基組成に基づく植物ゲノムにおける微生物由来水平伝播候補遺伝子の網羅的検出**
○藤田 由剛¹⁾、平川 英樹²⁾、池村 淑道³⁾、阿部 貴志¹⁾
1)新潟大学大学院 自然科学研究科、2)かずさDNA研究所、3)長浜バイオ大学
- P-016** **Rolling Circle Replicationによるコレラ流行株ゲノムの大規模重複**
○今村 大輔¹⁾、水野 環²⁾、三好 伸一²⁾、佐藤 勉¹⁾
1)法政大学生命科学部、2)岡山大学大学院医歯薬学総合研究科
- P-017** **麹菌の不飽和化酵素遺伝子の過剰発現化による遊離ジホモ- γ -リノレン酸の生産向上**
○安中 優太¹⁾、玉野 孝一^{2,3)}、伊藤 あやの¹⁾、三浦 愛²⁾、菅 英一郎⁴⁾、小山 泰二⁴⁾、田村 具博^{2,3)}
1)北海道ハイテクノロジー専門学校、2)産業技術総合研究所生物プロセス研究部門、3)産業技術総合研究所CBBDOIL、4)野田産業科学研究所
- P-018** **バイオ凝集剤生産菌 *Citrobacter freundii* IFO13545株のゲノムおよびメタボローム解析**
○Baranwal Priyanka、根来 誠司、武尾 正弘
兵庫県立大学大学院工学研究科
- P-019** (St1-06) **ゴム分解菌 *Actinoplanes* sp. OR16株の完全ゲノム解読とゴム分解遺伝子の同定**
○儀武 菜美子、須田 大登、Dao Viet Linh、福田 雅夫、笠井 大輔
長岡技術科学大学 生物
- P-020** **酢酸菌の呼吸鎖NADH脱水素酵素の進化と表現型に関する考察**
○松谷 峰之介¹⁾、平川 英樹²⁾、Sriherfyna Feronika Heppy¹⁾、薬師 寿治^{1,3)}、松下一信^{1,3)}
1)山口大学 大学院創成科学研究科(農学)・生物機能科学分野、2)かずさDNA研究所ゲノム情報解析施設、3)山口大学 中高温微生物研究センター
- P-021** **ゴム分解菌 *Rhizobacter gummiphilus* NS21T株の網羅的転写量解析によるゴム分解遺伝子の同定**
Dao Viet Linh¹⁾、田端 理朗¹⁾、儀武 菜美子¹⁾、今井 俊輔¹⁾、細山 哲²⁾、山副 敦司²⁾、福田 雅夫¹⁾、○笠井 大輔¹⁾
1)長岡技術科学大学 生物機能工学専攻、2)製品評価技術基盤機構 バイオリソースセンター

- P-022** 実験室進化によるコリネ型細菌のシステイン耐性株の取得と解析
(St2-05) ○松久 和歩、平沢 敬
東京工業大学生命理工学院
- P-023** ゲノム情報を利用した"生育温度を決定する因子"の推定
(St1-07) ○佐藤 悠¹⁾、木村 浩之²⁾、岡野 憲司¹⁾、本田 孝祐¹⁾
1)大阪大学大学院工学研究科生命先端工学専攻、2)静岡大学グリーン科学技術研究所
- P-024** 脂肪酸生産におけるマロニル-CoA増産の有効性
○佐藤 州朔¹⁾、尾崎 美帆²⁾、朝山 宗彦^{1,2)}、長南 茂^{1,2)}
1)茨城大学大学院農学研究科、2)茨城大学農学部
- P-025** 大腸菌エネルギー代謝遷移におけるPDH量のコントロールとPdhRの役割
○太刀川 智之^{1,4)}、島田 友裕²⁾、丹羽 達也³⁾、田口 英樹³⁾、田中 寛^{1,4)}
1)東京工業大学大学院生命理工学院、2)明治大学農学部、
3)東京工業大学 科学技術創成研究院 細胞制御工学研究センター、4)東京工業大学化学生命科学研究所
- P-026** *Selemonomas ruminantium*の特異な細胞表層構造構築に関わる遺伝子の探索の試み
小西 亜希¹⁾、樋口 敬太¹⁾、菅 英一郎¹⁾、五十嵐 貴之¹⁾、小野寺 智子^{1,2)}、阿部 直樹¹⁾、
○金子 淳¹⁾
1)東北大学大学院農学研究科、2)名寄市立大学保健福祉学部
- P-027** 生理・代謝機能評価のための最新版統合型高速解析システム—MAPLE 2.3.1—
(St1-08) ○高見 英人¹⁾、中川 剛史¹⁾、荒井 渉¹⁾、木田 洋祐²⁾、青野 圭祐²⁾、吉村 健二²⁾
1)海洋研究開発機構・横浜研、2)日本電気株式会社
- P-028** 微生物ゲノムアノテーションツール DFAST の開発
○谷沢 靖洋¹⁾、藤澤 貴智¹⁾、有田 正規^{1,2)}、中村 保一¹⁾
1)国立遺伝学研究所情報研究系、2)理化学研究所環境資源科学研究センター
- P-029** 微生物統合データベースMicrobeDB.jpの更新とヒトマイクロバイオーームデータの統合
○森 宙史¹⁾、藤澤 貴智¹⁾、西出 浩世²⁾、矢口 貴志³⁾、高橋 弘喜³⁾、山田 拓司⁴⁾、内山 郁夫²⁾、
中村 保一¹⁾、黒川 顕¹⁾
1)情報・システム研究機構 国立遺伝学研究所、2)自然科学研究機構 基礎生物学研究所、
3)千葉大学真菌医学研究センター、4)東京工業大学生命理工学院
- P-030** ゲノム情報を用いた *Cupriavidus* 属と *Ralstonia* 属細菌の再分類の提案
(St2-06) ○森内 良太^{1,2)}、道羅 英夫¹⁾、兼崎 友¹⁾、小川 直人^{2,3)}
1)静岡大学グリーン科学技術研究所、2)岐阜大学大学院連合農学研究科、
3)静岡大学大学院総合科学技術研究科農学専攻
- P-031** 放線菌多世代変異株のゲノム解析
○木村 優斗¹⁾、野村 祐介¹⁾、廣瀬 修一²⁾、中村 聡子³⁾、柏木 紀賢⁴⁾、荻野 千秋^{3,4)}、
近藤 昭彦^{3,4)}、根本 航¹⁾
1)東京電機大学大学院・理工・生命理工、2)長瀬産業株式会社 ナガセ R&D センター、
3)神戸大学大学院・工学・応用化学、4)神戸大学・科学・先端融合研究環
- P-032** 全ゲノム比較による泡盛黒麹菌を含む黒アスペルギルス類の系統解析
○塚原 正俊¹⁾、阿部 峻之¹⁾、東 春奈¹⁾、外山 博英²⁾、水谷 治²⁾、山田 修³⁾
1)株式会社バイオジェット、2)琉球大学 農学部 亜熱帯生物資源科学科、3)独立行政法人 酒類総合研究所

- P-033** 大腸菌の増殖を決定する環境要因の判定と予測
(St1-09) ○荻野 一葉¹⁾、菅野 健太²⁾、天笠 俊之²⁾、應 蓓文¹⁾
1)筑波大・生命環境、2)筑波大・計算センター
- P-034** アンチモン(V)を還元する *Geobacter* sp. SbR 株のゲノム配列解析
○藁科 友朗^{1,2)}、原田 誠史^{1,2)}、中嶋 信美³⁾、山村 茂樹³⁾、富田 勝^{1,2)}、鈴木 治夫^{1,2)}、
天知 誠吾⁴⁾
1)慶應義塾大学 先端生命科学研究所、2)慶應義塾大学 環境情報学部、3)国立環境研究所、
4)千葉大学 園芸学部
- P-035** 非コア遺伝子の並び順の保存性に基づくゲノミックアイランドの抽出
○内山 郁夫
基礎生物学研究所
- P-036** 大腸菌 *dksA* 変異株における低コピープラスミドの安定遺伝に関する解析
○沖田 貴弘、久留主 泰朗
茨城大学農学部
- P-037** シアノバクテリアにおける主要シグマ因子結合タンパク質と熱耐性
○長谷川 葉月¹⁾、鶴巻 達大¹⁾、小林 一幾²⁾、今村 壮輔¹⁾、田中 寛¹⁾
1)東京工業大学 化学生命科学研究所、2)千葉大学大学院 工学研究院
- P-038** *Mycobacterium* sp. EPa45 株におけるフェナントレン分解遺伝子群の転写解析
(St2-07) ○市橋 永吉、小川 なつみ、加藤 広海、岸田 康平、野々山 翔太、永田 裕二、大坪 嘉行、
津田 雅孝
東北大学大学院生命科学研究科
- P-039** プラスミド保持による負荷に関する転写制御因子 MexT
(St1-10) ○久保 彩、水口 千穂、岡田 憲典、野尻 秀昭
東京大学生物生産工学研究センター
- P-040** Type I トキシン-アンチトキシン系の巧妙な遺伝子発現制御機構
○川野 光興¹⁾、石本 巧²⁾、齊藤 峰輝¹⁾
1)川崎医科大学医学部微生物学教室、2)新潟薬科大学応用生命科学部遺伝子発現制御学研究室
- P-041** Screening for factors affecting read-through at sRNA rho-independent terminator
○Tepei Morita¹⁾, Nadim Majdalani²⁾, Susan Gottesman²⁾
1) Faculty of Pharmaceutical Sciences, Suzuka University of Medical Sciences
2) Laboratory of Molecular Biology, Center for Cancer Research, National Cancer Institute, National Institutes of Health
- P-042** pCAR1由来カルバゾール分解遺伝子群の発現が集団中で多様化するメカニズム
(St2-08) ○山本 夏実¹⁾、高比良 早紀¹⁾、水口 千穂^{1,2)}、川戸 美咲³⁾、重藤 真介³⁾、岡田 憲典¹⁾、
野尻 秀昭^{1,2)}
1)東大・生物工学セ、2)東大・微生物連携機構、3)関学大・理工
- P-043** *Burkholderia* 属細菌における Fur で制御される
へム獲得系活性化因子 HemP の普遍的機能の解析
(St1-11) ○野々山 翔太、佐藤 拓哉、永田 裕二、大坪 嘉行、津田 雅孝
東北大・院生命科

- P-044** 麹菌の分泌性ルシフェラーゼ・レポーターの構築と二次代謝系遺伝子の簡便・迅速な発現解析
(St2-09)
○町田 雅之、石井 智子、佐野 元昭
金沢工業大学ゲノム生物工学研究所
- P-045** 糸状性シアノバクテリア *Leptolyngbya boryana* の運動性を制御する新たな因子
○戸井田 一磨¹⁾、上坂 一馬²⁾、井原 邦夫²⁾、藤田 祐一³⁾、岩崎 秀雄¹⁾
1) 早稲田大学大学院 先進理工学研究科 電気・情報生命専攻、2) 名古屋大学 遺伝子実験施設、
3) 名古屋大学大学院 生命農学研究科
- P-046** 病原細菌における tail-to-tail 遺伝子プロファイリング
北田 泰平¹⁾、谷川 敦也¹⁾、兼崎 友²⁾、吉川 博文²⁾、Groisman Eduardo³⁾、○加藤 明宣¹⁾
1) 近畿大学農学部バイオサイエンス学科、2) 東京農業大学応用生物科学部バイオサイエンス学科、
3) Yale School of Medicine
- P-047** 乳酸発酵に優れた *Enterococcus mundtii* QU25 におけるセロビオース/キシロース混合糖条件下での転写解析
(St1-12)
一カタボライト抑制回避のメカニズム解明を目指して—
○志波 優^{1,2)}、藤原 治子³⁾、鍋田 啓介⁴⁾、兼崎 友²⁾、田代 幸寛³⁾、善藤 威史³⁾、田中 尚人¹⁾、
藤田 信之¹⁾、吉川 博文^{4,2)}、園元 謙二^{3,5)}、門多 真理子^{6),4)}
1) 東農大・分子微生物、2) 東農大・ゲノムセンター、3) 九大院・農、4) 東農大・バイオ、
5) 九大・バイオアーク、6) 武蔵野大・環境
- P-048** PCB/Biphenyl 分解細菌 *Acidovorax* sp. KKS102 株のカタボライト調節に
(St2-10)
関与するレスポンスレギュレーター BphQ アセチル化修飾の解析
○酒井 啓一郎¹⁾、佐々木 春菜¹⁾、永田 裕二²⁾、津田 雅孝¹⁾、大坪 嘉行¹⁾
1) 東北大学大学院微生物遺伝分野、2) 東北大学大学院微生物進化機能開発講座
- P-049** シアノバクテリア *Synechocystis* sp. PCC6803 の酸性ストレス耐性に関わる
Sll1558 の解析
○内山 純爾^{1,2,3)}、伊藤 雄太郎⁴⁾、市川 雄太²⁾、三部 守²⁾、松橋 歩²⁾、太田 尚孝^{1,2,3)}
1) 東京理科大学・理学部・教養学科、2) 東京理科大学大学院・科学教育研究科・科学教育専攻、
3) 東京理科大学大学院・理学研究科・科学教育専攻、4) 東京理科大学大学院・基礎工学研究科・生物工学専攻
- P-050** 枯草菌 *rpoA* の非翻訳領域を介する栄養状態に適応した発現制御機構の解析
(St2-11)
○蟹谷 美有¹⁾、大坂 夏木²⁾、朝井 計¹⁾
1) 東京農業大学応用生物科学部、2) 東京農業大学大学院バイオサイエンス専攻
- P-051** 枯草菌におけるルシフェラーゼ発光による NADPH 再生のモニタリング
○河端 穂奈美
神戸大学大学院科学技術イノベーション研究科
- P-052** 新規核様体タンパク質 NdpA ホモログの多量体形成能
(St2-12)
○佐道 陽弘¹⁾、水口 千穂^{1,2)}、岡田 憲典¹⁾、野尻 秀昭^{1,2)}
1) 東大・生物工学セ、2) 東大・微生物連携機構
- P-053** 演題取消
- P-054** 概日振動発振における時計タンパク質 KaiC の C 末端領域の機能解析
(St2-13)
○山下 昂三、浅井 智広、寺内 一姫
立命館大学大学院生命科学研究所

- P-055** *Synechocystis* sp.PCC6803の酸性ストレス下でのArsRの
ストレス感知や転写の制御機構
(St1-13)
○中原 凌波¹⁾、甲賀 栄貴¹⁾、今井田 明子¹⁾、内山 純爾²⁾、太田 尚孝^{1,2)}
1)東京理科大学大学院理学研究科科学教育専攻、2)東京理科大学理学部
- P-056** シアノバクテリア *Synechocystis* sp. PCC 6803 におけるRNase Eの
発現制御機構
(St2-14)
○大竹 祥太¹⁾、Damir Stazic²⁾、朝山 宗彦³⁾、Annegret Wilde⁴⁾、Claudia Steglich²⁾、
Wolfgang Hess²⁾、渡辺 智¹⁾
1)東京農業大学・院・バイオ、2) Genet. and Bioinfo., フライブルク大学、3)茨城大学・農、
4) Mol. Genet., フライブルク大学
- P-057** IS 256Bsu1 のCRISPR/dCas9 システムによるtransposase発現抑制系の開発
(St1-14)
○片野 亘、徳山 麻里、朝井 計、吉川 博文
東京農業大学
- P-058** ピルビン酸存在下での亜硝酸酸化細菌 *Nitrotoga* の混合栄養的な増殖様式
○石井 拳人¹⁾、藤谷 拓嗣^{2,3)}、関口 勇地²⁾、常田 聡^{1,3)}
1)早稲田大学大学院先進理工学研究科生命医科学専攻、2)産業技術総合研究所、
3)早稲田大学ナノ・ライフ創新研究機構
- P-059** Possible interaction of NCgl2986 gene encoding amidase-like protein and
MurA protein in *Corynebacterium glutamicum*
○Utami Mia Fitria¹⁾、松田 吉彦²⁾、岩井 伯隆¹⁾、平沢 敬¹⁾、和地 正明¹⁾
1)生命理工学院、東京工業大学、2)味の素(株)
- P-060** フェナントレン分解細菌 *Mycobacterium* sp. EPa45の生育阻害因子の解析
(St2-15)
○堀川 慧太、池内 倫子、小川 なつみ、加藤 広海、大坪 嘉行、永田 裕二、津田 雅孝
東北大学大学院生命科学研究科
- P-061** 自由生活性バクテリアと赤潮形成渦鞭毛藻との代謝産物を介した相互作用
(St1-15)
○鈴木 重勝¹⁾、山口 晴代¹⁾、河地 正伸¹⁾
1)国立環境研究所
- P-062** 見過ごされたアンモニア酸化細菌：*Nitrosomonas*属の新規な生理学、ゲノミクス、
環境分布
○藤谷 拓嗣^{1,2)}、菊池 脩太³⁾、石井 拳人³⁾、関口 勇地¹⁾、常田 聡^{2,3)}
1)産業技術総合研究所バイオメディカル研究部門、2)早稲田大学ナノ・ライフ創新研究機構、
3)早稲田大学大学院先進理工学研究科生命医科学専攻
- P-063** メタ16S解析による浴槽中の微生物叢の解明
(St1-16)
○久代 健太¹⁾、阿部 貴志¹⁾、谷崎 三郎²⁾、近藤 昭宏²⁾
1)新潟大学大学院自然科学研究科、2)株式会社日吉
- P-064** ヒト常在細菌の個人特異性と被験者メタデータの関連解析
○渡邊 日佳流、山田 拓司
東京工業大学生命理工学院生命工学系生命工学コース
- P-065** *Synechocystis* sp. PCC6803の様々な環境ストレス下における
バイオフィーム形成の多様性
○高橋 晃一¹⁾、石川 晴菜²⁾、板垣 文子²⁾、内山 純爾^{1,2,3)}、太田 尚孝^{1,2,3)}
1)東京理科大学理学研究科科学教育専攻、2)東京理科大学科学教育研究科科学教育専攻、
3)東京理科大学理学部教養学科

- P-066** Endophytic bacterial communities associated with extremophile plants of Chile
Zhang Qian¹⁾、Acuna Jacqueline²⁾、Sadowsky Michael¹⁾、○Jorquera Milko²⁾
1)ミネソタ大学(USA)、2)ラ・フロンテラ大学(チリ)
- P-067** プラスミドベクター pBBR1MCSの宿主域に関する研究
(St1-17) ○岸田 康平、永田 裕二、大坪 嘉行、津田 雅孝
東北大学院生命科学研究科
- P-068** ダイズ根粒菌共生窒素固定を促進する *Bacillus velezensis* S141のゲノム解析
○近藤 隆彦¹⁾、Surachat Sibponkrung²⁾、Panlada Tittabutr²⁾、Nantakorn Boonkerd²⁾、Neung Teaumroong²⁾、石川 周¹⁾、吉田 健一¹⁾
1)神戸大学大学院科学技術イノベーション研究科、2)スラナリ工科大学
- P-069** 従属栄養細菌の栄養源制限下における適応増殖メカニズム
○稲葉 慎之介、酒井 洋範、加藤 広海、大坪 嘉行、津田 雅孝、永田 裕二
東北大学大学院生命科学研究科
- P-070** ソルガム由来 *Bradyrhizobium* の窒素固定とゲノム情報に基づく機能解析
(St2-16) ○原 沙和¹⁾、原 新太郎¹⁾、森川 峻志¹⁾、菅原 雅之¹⁾、米田 淳一²⁾、徳永 毅²⁾、南澤 究¹⁾
1)東北大・院生命、2)株式会社アースノート
- P-071** マーモセット腸内細菌叢のメタゲノム・メタトランスクリプトーム解析
○上原 美夏¹⁾、小湊 みのり¹⁾、長谷 純崇¹⁾、井上 貴史²⁾、佐々木 えりか²⁾、豊田 敦³⁾、榊原 康文¹⁾
1)慶應義塾大学理工学部、2)実験動物中央研究所、3)国立遺伝学研究所
- P-072** 長野県大町白馬地域における細菌群集構造解析
○太田 優一郎¹⁾、中村 竜亮¹⁾、佐藤 友彦²⁾、澤木 祐輔³⁾、山本 希²⁾、森 宙史⁴⁾、黒川 顕⁴⁾、田中 俊博
1)長野県大町岳陽高等学校、2)東京工業大学大学、3)東京大学、4)国立遺伝学研究所
- P-073** ノニルフェノール分解性細菌 *Sphingobium amiense* DSM 16289^T および *Sphingobium cloacae* JCM 10874^T の全ゲノム解析による代謝全体像の比較
○大塚 美奈¹⁾、郭 永²⁾、西澤 智康^{1,2)}、久留主 泰朗^{1,2)}、太田 寛行^{1,2)}
1)東京農工大学大学院連合農学研究科、2)茨城大学農学部
- P-074** 網羅的遺伝子発現解析による硝化菌の形態変化がもたらす生存戦略の解明
○一色 理乃¹⁾、藤谷 拓嗣^{2,3)}、田中 大器³⁾、関口 哲志³⁾、常田 聡^{1,3)}
1)早稲田大学大学院 先進理工学研究科、2)産業技術総合研究所 バイオメディカル研究部門、3)早稲田大学 ナノ・ライフ創新研究機構
- P-075** ブタノール生成 *Clostridium* 属細菌の比較ゲノム解析
○黒坂 愛美、郭 永、上原 研人、長南 茂、久留主 泰朗、太田 寛行、西澤 智康
茨城大学農学部
- P-076** *Rhodococcus* 属細菌の有機溶媒中での生育
(St2-17) ーアルカン相での溶存酸素の利用についてー
○田淵 大樹¹⁾、瀧原 速仁²⁾、岩淵 範之¹⁾、砂入 道夫¹⁾
1)日本大学生物資源科学部応用生物科学科、2)新潟大学大学院医歯学総合研究科バイオインフォマティクス分野

- P-077** 好塩性光合成細菌 *Halorhodospira halochloris* のゲノム解析から明らかになった特異な光合成装置
(St1-18)
○塚谷 祐介¹⁾、民秋 均²⁾、広瀬 侑³⁾
1) 海洋研究開発機構 海洋生命理工学研究開発センター、2) 立命館大院 生命科学、3) 豊橋科学技術大学 エレクトロニクス先端融合研
- P-078** 冷却塔に定着する *L. pneumophila* のゲノム分子疫学解析
○中西 典子、野本 竜平、田中 忍、有川 健太郎、岩本 朋忠
神戸市環境保健研究所 感染症部
- P-079** ナフタレン分解プラスミド NAH7 の Partition system が関与する接合伝達頻度上昇
(St1-19)
○久土 晃二、岸田 康平、永田 裕二、大坪 嘉行、津田 雅孝
東北大学院生命科学研究科
- P-080** 難培養菌群による polymicrobial disease のメタゲノム解析
○後藤 恭宏¹⁾、梶谷 嶺²⁾、小椋 義俊¹⁾、伊藤 武彦²⁾、三澤 尚明³⁾、林 哲也¹⁾
1) 九州大学大学院医学研究院、2) 東京工業大学生命理工学院、3) 宮崎大学農学部獣医学科
- P-081** ゴムの添加により優占化する細菌叢の解析
(St1-20)
○新 朋香¹⁾、儀武 菜美子¹⁾、須田 大登¹⁾、平方 悠河²⁾、山口 隆司²⁾、黒田 恭平³⁾、笠井 大輔¹⁾
1) 長岡技術科学大学 生物、2) 長岡技術科学大学 環境、3) 都城工業高等専門学校 物質
- P-082** 大腸菌ゲノム分断化の検討
(St2-18)
○米司 達哉、向井 崇人、末次 正幸
立教大学理学部生命理学科
- P-083** シアノバクテリアを用いたストリゴラクトン生産系構築の試み
(St1-21)
○坂巻 裕¹⁾、高市 真一²⁾、伊藤 晋作¹⁾、渡辺 智¹⁾
1) 東京農業大学大学院バイオサイエンス専攻、2) 東京農業大学分子微生物学科
- P-084** 緑色硫黄光合成細菌におけるシアノバクテリア生物時計の細胞内再構成
(St2-19)
○酒井 唱太郎¹⁾、横井川 侑太¹⁾、足立 実音²⁾、寺内 一姫^{1,2)}、浅井 智広^{1,2)}
1) 立命館大学大学院生命科学研究科、2) 立命館大学生命科学部
- P-085** 試験管内再構成系における核様体タンパク質 HU による大腸菌染色体 DNA 複製開始の促進機構の解析
(St1-22)
○吉田 竜星、尾崎 省吾、川上 広宣、片山 勉
九州大学 薬学部 分子生物薬学分野
- P-086** ジペプチドの増殖阻害機構の解析
(St2-20)
○丘山 春奈、田中 佑樹、板谷 佳織、岩井 伯隆、和地 正明
東京工業大学生命理工学院
- P-087** 枯草菌孢子最外層の解析
(St2-23)
○中谷 優星¹⁾、安部 公博²⁾、岩本 敬人¹⁾、佐藤 勉^{1,2)}
1) 法政大学大学院 理工学研究科 生命機能学専攻、2) 法政大学 マイクロ・ナノテクセンター
- P-088** 大腸菌形態形成因子 RodZ の膜貫通領域の機能解明に向けた遺伝学的解析
阿合理沙¹⁾、岡本 尚²⁾、仁木 宏典²⁾、○塩見 大輔¹⁾
1) 立教大学・理学部、2) 遺伝研・遺伝形質研究系

- P-089** 枯草菌における membrane vesicle の生産制御機構
○安部 公博¹⁾、尾花 望²⁾、豊福 雅典¹⁾、野村 暢彦¹⁾
1) 筑波大学 生命環境系、2) 筑波大学 医学医療系 トランスポーター医学研究センター
- P-090** 大腸菌コンデンシン MukB の一本鎖 DNA 認識機構
(St2-21) ○秋山 光市郎、仁木 宏典
国立遺伝学研究所
- P-091** *Anabaena* sp. PCC7120 の酸性ストレス条件下におけるヘテロシスト形成の阻害
(St1-24) ○佐藤 正典¹⁾、内山 純爾^{2,3)}、太田 尚孝^{2,3)}
1) 東京理科大学理学部化学科、2) 東京理科大学理学部教養学科、3) 東京理科大学理学部科学教育専攻
- P-092** コリネ型細菌における増殖至適温度と中央代謝経路の最適温度の違い
水野 光¹⁾、豊田 晃一²⁾、仁宮 一章^{1,3)}、高橋 憲司¹⁾、乾 将行²⁾、○柘植 陽太^{1,3)}
1) 金沢大学大学院自然科学研究科、2) RITE、3) 金沢大学新学術創成研究機構
- P-093** メチオニン代謝が関与する GTP 生合成の新規な制御機構の解析
(St1-25) ○大坂 夏木¹⁾、高田 啓²⁾、兼崎 友³⁾、門屋 亨介⁵⁾、田口 精一⁴⁾、渡辺 智¹⁾、千葉櫻 拓¹⁾、吉川 博文¹⁾、朝井 計¹⁾
1) 東京農業大学大学院・バイオサイエンス専攻、2) MIMS, Umea University、3) 静岡大学・グリーン科学技術研究所、4) 東京農業大学・分子生命化学科、5) 東京大学大学院・農学生命科学研究科
- P-094** シアノバクテリア *Synechocystis* sp. PCC6803 の ClpXP の解析
(St2-22) ○甲賀 栄貴¹⁾、金丸 未来¹⁾、齋藤 慶和²⁾、中原 凌波¹⁾、今井田 明子¹⁾、内山 純爾^{1,3)}、太田 尚孝^{1,3)}
1) 東京理科大学大学院理学研究科、2) 東京理科大学基礎工学部、3) 東京理科大学理学部
- P-095** リボソームタンパク質を介した枯草菌 (p) ppGpp 合成酵素の活性化機構の解析
(St1-26) ○長谷川 優太¹⁾、大坂 夏木²⁾、河村 富士夫³⁾、朝井 計^{1,2)}
1) 東京農業大学応用生物科学部バイオサイエンス学科、2) 東京農業大学大学院農学研究科バイオサイエンス専攻、3) 立教大学理学部生命理学科
- P-096** 枯草菌におけるペプチドグリカン合成に関わる細胞壁分解酵素の機能
○橋本 昌征
成功大学 医学院 分子医学研究所
- P-097** リボソームを介した Mg²⁺ 濃度変化への適応
○赤沼 元気、並木 晃、河村 富士夫、山田 康之
立教大学理学部生命理学科
- P-098** 酵母のフェロモンが多様化する仕組みを実験的に探る
(St2-23) ○清家 泰介¹⁾、仁木 宏典²⁾、古澤 力^{1,3)}
1) 理化学研究所・生命機能科学研究センター、2) 国立遺伝学研究所・系統生物研究センター、3) 東京大学大学院理学系研究科・生物普遍性研究機構
- P-099** Cryptic *Escherichia* clade の潜在的病原性の解析
有水 遥子¹⁾、桐野 有美²⁾、中村 佳司¹⁾、後藤 恭宏¹⁾、林 哲也¹⁾、○小椋 義俊¹⁾
1) 九州大学大学院医学研究院、2) 宮崎大学農学部
- P-100** 紅藻ガルテリアの新規単離株と変異株の従属栄養応答の比較解析
○兼崎 友^{1,2)}、向井 瑞梨³⁾、宮澤 和己³⁾、重信 直人³⁾、渡辺 智³⁾
1) 静岡大学・グリーン科学技術研究所、2) 東京農業大学・生物資源ゲノム解析センター、3) 東京農業大学・生命科学・バイオ

- P-101** 2成分性 β バレル型膜孔形成毒素の膜孔形成に関わるS成分残基の解析
(St1-27) ○武田 慶胤¹⁾、彭 昭¹⁾、竹下 珠由¹⁾、田中 良和²⁾、金子 淳¹⁾
1)東北大学大学院農学研究科応用微生物学分野、2)東北大学大学院生命科学研究科応用生命分子解析分野
- P-102** *Serratia marcescens* のゲノム解析に基づいた大規模系統解析
○小野 友行^{1,2)}、小椋 義俊¹⁾、佐藤 光彦¹⁾、中村 佳司¹⁾、後藤 恭宏¹⁾、西田 留梨子¹⁾、井口 純³⁾、後藤 直正⁴⁾、伊藤 武彦⁵⁾、塩瀬 明²⁾、林 哲也¹⁾
1)九州大学大学院医学研究院細菌学分野、2)九州大学大学院医学研究院循環器外科学、3)宮崎大学農学部畜産草地科学科、4)京都薬科大学、5)東京工業大学大学生命理工学院
- P-103** ショートリードを活用した効率的な微生物ゲノムアセンブリワークフローの提案
○上坂 一馬¹⁾、井原 邦夫²⁾
1)名古屋大学・生命農学研究科、2)名古屋大学・遺伝子実験施設
- P-104** 難培養性原生生物におけるシングルセルトランスクリプトーム：
シロアリ共生原生生物をモデルとして
(St2-24) ○西村 祐貴¹⁾、小田切 正人²⁾、雪 真弘¹⁾、守屋 繁春³⁾、大熊 盛也¹⁾
1)理化学研究所 バイオリソース研究センター、2)理化学研究所 量子工学研究センター、3)理化学研究所 環境資源科学研究センター
- P-105** 無細胞遺伝子集積法 RA-RCR による機能的長鎖環状 DNA の構築
(St1-28) ○倉田 竜明、末次 正幸
立教大学理学部生命理学科
- P-106** 汎用的プロトプラスト形質転換法の開発
(St2-25) ○山本 純也、吉田 健一、石川 周
神戸大学大学院科学技術イノベーション研究科
- P-107** 環状ゲノムの試験管内複製サイクル増幅のための *oriC* 導入技術
(St1-29) ○奈良 聖亜、末次 正幸
立教大学大学院理学研究科生命理学専攻
- P-108** Propidium monoazide を用いたゲノム解析による迅速な薬剤耐性菌の同定
○大野 歩¹⁾、梅澤 和夫²⁾、Kirill Kryukov¹⁾、中川 草¹⁾、浅井 さとみ³⁾、宮地 勇人³⁾、今西 規¹⁾
1)東海大学医学部基礎医学系 分子生命科学、2)東海大学 医学部 外科学系 救急救命医学、3)東海大学医学部基盤診療学系 臨床検査学
- P-109** ビフィズス菌のもつ二成分制御系 BL0005-BL0006 の転写制御機構の解明
(3O1-05) ○小酒井 智也¹⁾、和泉 絢子²⁾、下総 葉子³⁾、野村 泉⁴⁾、鈴木 徹⁴⁾
1)岐阜大学大学院連合農学研究科、2)岐阜大学大学院応用生物科学研究科、3)岐阜大学大学院自然科学技術研究科、4)岐阜大学応用生物科学部
- P-110** 単細胞藻類 *C. merolae* のオルガネラにおけるアルギニンコドンの認識機構の解析
○佐野 光、○相馬 亜希子
千葉大学大学院園芸学研究科
- P-111** rRNA 遺伝子がプラスミドだけに存在するバクテリアのゲノム進化
(1O1-05) ○按田 瑞恵¹⁾、山内 駿¹⁾、坂本 光央²⁾、高島 昌子²⁾、大熊 盛也²⁾、豊田 敦³⁾、岩崎 渉¹⁾
1)東京大・院理、2)理研・BRC-JCM、3)遺伝研
- P-112** 細菌の薬剤耐性進化における変異率と進化速度の関係
(1O1-06) ○芝井 厚¹⁾、井筒 弥那子²⁾、古澤 力^{1,3)}
1)理化学研究所、2)ミシガン州立大学、3)東京大学

- P-113** (101-07) **可動性遺伝因子間における組換えユニットの互換性に関する解析**
 ○鈴木 祥太¹⁾、吉川 実季²⁾、安部 公博¹⁾、佐藤 勉^{1,2)}
 1)法政大学 マイクロ・ナノテクセンター、2)法政大学 生命科学部 生命機能学科
- P-114** (101-08) **DNAメチル化酵素の配列特異性変換によるピロリ菌エピゲノム・ミクロ進化**
 ○福世 真樹^{1,2)}、矢野 大和^{3,4)}、矢原 耕史⁵⁾、今野 武津子⁶⁾、柴田 朋子⁷⁾、重信 秀治⁷⁾、
 内山 郁夫⁷⁾、小林 一三^{3,8,9)}
 1)千葉大学医学部、2)かずさDNA研究所、3)東京大学新領域創成科学研究科、4)東北大学生命科学研究科、
 5)感染症研究所、6)JA札幌厚生病院、7)基礎生物学研究所、8)杏林大学医学部、9)パリ大学サクレール校
- P-115** (102-02) **NAF - data compression for next generation of genome databases**
 ○Kryukov Kirill¹⁾、高橋 上田 真保子²⁾、中川 草^{1,2)}、今西 規¹⁾
 1)東海大学医学部基礎医学系分子生命科学、2)東海大学マイクロ・ナノ研究開発センター
- P-116** (102-07) ***Aspergillus fumigatus*とその近縁種に潜伏するRNAウイルスの網羅的な探索**
 ○千葉 悠斗¹⁾、浦山 俊一^{2,3)}、矢口 貴志⁴⁾、萩原 大祐^{2,3,4)}
 1)筑波大学院・生命環境科学、2)筑波大学・生命環境系、
 3)筑波大学・微生物サステイナビリティ研究センター、4)千葉大学・真菌医学研究センター
- P-117** (102-04) **リボソームプロファイリングデータから見る複数生物の内在性タンパク質の翻訳効率と配列特徴量の関係**
 ○田島 直幸¹⁾、熊谷 俊高²⁾、齋藤 裕¹⁾、亀田 倫史¹⁾
 1)国立研究開発法人産業技術総合研究所人工知能研究センター、2)株式会社ファームラボ
- P-118** (301-04) **遺伝子発現のテラバイオロジー：
テラヘルツ領域のゆらぎ運動から遺伝子発現の分子機能を理解する**
 ○今清水 正彦¹⁾、田中 真人²⁾、保科 宏道³⁾、竹内 恒¹⁾
 1)産業技術総合研究所 創薬分子プロファイリング研究センター、
 2)産業技術総合研究所 分析計測標準研究部門、3)理化学研究所 テラヘルツイメージング研究チーム
- P-119** (301-05) **ビフィズス菌のもつ二成分制御系BL0005-BL0006の転写制御機構の解明**
 ○小酒井 智也¹⁾、和泉 絢子²⁾、下総 葉子³⁾、野村 泉⁴⁾、鈴木 徹⁴⁾
 1)岐阜大学大学院連合農学研究科、2)岐阜大学大学院応用生物科学研究科、
 3)岐阜大学大学院自然科学技術研究科、4)岐阜大学応用生物科学部
- P-120** (301-10) **南極コケ坊主由来 *Spingomonas* 属細菌2種の環境適応に関する比較ゲノム解析**
 ○赤澤 優¹⁾、阿部 貴志¹⁾、仁木 宏典²⁾、馬場 知哉³⁾
 1)新潟大・院自然科学、2)遺伝研、3)情報・システム機構
- P-121** (301-11) **大阪湾における海洋微生物・ウイルスの群集ダイナミクスと生態学的相互作用解析**
 ○富永 賢人¹⁾、晴気 七菜¹⁾、藤原 健太郎¹⁾、西村 陽介^{2) 3)}、山本 圭吾⁴⁾、綿井 博康¹⁾、
 左子 芳彦¹⁾、緒方 博之²⁾、吉田 天士¹⁾
 1)京都大学大学院農学研究科、2)京都大学化学研究所、3)東京大学大気海洋研究所、
 4)大阪府立環境農林水産総合研究所
- P-122** (201-06) **大腸菌におけるギ酸依存的な尿酸分解に関与する遺伝子群の同定**
 ○岩館 佑未^{1,2)}、加藤 潤一¹⁾
 1)首都大学東京大学院理工学研究科生命科学専攻、2)イリノイ大学分子・細胞生物学研究科微生物学専攻
- P-123** (201-07) **形態形成制御因子RodZタンパク質による効率的なZリング形成**
 ○吉井 佑介¹⁾、仁木 宏典²⁾、塩見 大輔¹⁾
 1)立教大学理学部、2)遺伝研遺伝形質研究系

P-124

(201-08)

**培養時における金属イオン組成を考慮した
マイクロインジェクション可能なバクテリア細胞の創出**

○高橋 沙和子、西田 洋巳

富山県立大学大学院生物工学専攻